

农业生物技术科学

**猕猴桃EST序列的SSR信息分析**

姜春芽, 徐小彪, 廖 娇, 倪志华, 李 晶

江西农业大学

**收稿日期** 2009-3-27 **修回日期** 2009-5-7 **网络版发布日期** 2009-7-5 **接受日期** 2009-6-24

**摘要** 从NCBI公共数据库中最新公布的猕猴桃表达序列标签 (Expressed Sequence Tag, EST) 中随机抽取56,400条序列, 应用SSRHunter软件查找微卫星 (Microsatellite, SSR) 重复序列。研究表明, 从猕猴桃EST序列中获得了7939条SSR, 其中包括二核苷酸重复5131条 (64.63%), 三核苷酸重复1237条 (15.58%), 四核苷酸重复284条 (3.58%), 五核苷酸重复397条 (5.00%), 六核苷酸重复890条 (11.21%)。大约每2.48kb 长度的单一基因序列中即存在1个SSR, 即平均7个单一基因中存在1个SSR。二核苷酸重复序列是最丰富的重复单元, 其次为三核苷酸重复和六核苷酸重复。在所获得的SSR重复单元中, AG/CT为优势重复, 共分布4654条 (90.70%)。通过筛查猕猴桃EST序列中的SSR, 可为猕猴桃基于EST-SSR的分子生物学研究奠定理论基础。

**关键词** [猕猴桃](#) [表达序列标签](#) [微卫星](#)**分类号****DOI:****通讯作者:**姜春芽 [hoveryb@eyou.com](mailto:hoveryb@eyou.com)**作者个人主页:**

姜春芽;徐小彪;廖 娇;倪志华;李 晶

**扩展功能****本文信息**

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(420KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)

**参考文献****服务与反馈**

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

**相关信息**

- ▶ [本刊中 包含“猕猴桃”的 相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [姜春芽](#)
- [徐小彪](#)
- [廖 娇](#)
- [倪志华](#)
- [李 晶](#)