

农业生物技术科学

梨种质资源遗传多样性研究中的RAPD技术引物筛选

马艳芝¹, 张玉星²

1. 唐山师范学院
2. 河北农业大学

收稿日期 2009-3-6 修回日期 2009-3-11 网络版发布日期 2009-6-5 接受日期 2009-6-1

摘要 以梨属44个种和品种为试验材料, 利用RAPD技术从50个随机引物中筛选出18个多态性引物, 用于梨种质资源遗传多样性研究。结果表明: 所选出的多态性引物每个引物扩增出的条带数在4—11之间, 扩增出的DNA片段分子量大多在450bp—2000bp之间, 共扩增出118个条带, 其中样品间相同的条带数有11条, 呈现多态性的条带107条, 多态百分率达90.8%。

关键词 [梨](#) [种质资源](#); [RAPD](#); [遗传多样性](#); [引物](#)

分类号

DOI:

对应的英文版文章: [2009-0426](#)

通讯作者:

马艳芝 mayanzhiwxd@163.com

作者个人主页: [马艳芝¹](#); [张玉星²](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(1336KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“梨”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [马艳芝](#)

• [张玉星](#)