

【作者】	袁维风 , 徐凯, 徐德聪, 钱玉梅
【单位】	宿州学院化生系, 安徽宿州
【卷号】	34
【发表年份】	2006
【发表刊期】	23
【发表页码】	6130 - 6131
【关键字】	葡萄种质资源; RAPD; 遗传多样性
【摘要】	对15个葡萄品种进行RAPD分析。从60条随机引物中筛选出10个多态性引物用于DNA扩增,共扩出71条DNA带,其中多态性DNA带47条,占总数的66.2%。通过聚类分析,分成4大类,美洲葡萄类群康可、奇妙无核自成一类,与欧亚种、欧美杂种分开;其中森田尼无核、无核白遗传关系近,最先聚在一起。该结果显示,欧亚类群遗传差异较大,具有丰富的遗传多样性,证明RAPD技术能在DNA分子水平上揭示葡萄遗传背景及亲缘关系。
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭