

农业生物技术科学

桃果实乙烯反应因子PpERF1全长基因的克隆及序列分析

赵相娟¹, 张 静², 魏绍冲³

1. 山东农业大学园艺科学与工程学院
2. 山东省果树研究所
3. 山东农业大学

收稿日期 2008-11-24 修回日期 2008-12-19 网络版发布日期 2009-4-20 接受日期 2009-4-16

摘要 以成熟肥城桃果实的cDNA为模板, 根据EST库中的核苷酸序列, 设计2条特异引物分别与B26进行PCR扩增, 结果得到了该基因下游包括3' 端非编码区的765 bp大小的cDNA片段。PpERF1基因全长为1 263 bp, 包含一个708 bp大小的完整开放阅读框(ORF)。序列分析表明, PpERF1与番茄、拟南芥、苹果和葡萄等在DNA结合功能域的约58个氨基酸中, 同源性可达68.4%-100%, 且在该区域中存在1个 α -螺旋和3个反平行链构成的 β -折叠结构。经同源性分析, 该序列与拟南芥、葡萄、豌豆等植物的氨基酸同源性为58.8%~67.5%, 属于同一类ERF家族成员。

关键词 [桃](#) [PpERF1](#) [克隆](#) [序列分析](#)

分类号

DOI:

对应的英文版文章: [2008-1291](#)

通讯作者:

魏绍冲 scwei@sdau.edu.cn

作者个人主页: 赵相娟¹; 张 静²; 魏绍冲³

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(692KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“桃”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [赵相娟](#)
 - [张 静](#)
 - [魏绍冲](#)