

农业生物技术科学

ISSR标记对34份樱桃种质资源的遗传分析

艾呈祥¹, 张力思¹, 李国田¹, 魏海蓉¹, 樊靖², 刘庆忠¹

¹山东省果树研究所, 山东省果树生物技术育种重点实验室, 泰安 271000; ²西南林学院园林学院, 昆明 650224

收稿日期 2008-2-23 修回日期 2008-2-27 网络版发布日期 2008-4-11 接受日期 2008-3-10

摘要 利用ISSR标记对34份樱桃种质资源进行遗传多样性检测。结果发现, ISSR标记能够揭示材料间较高的遗传多样性。每个引物可获得6~12条DNA片段, 平均为8.76条; 17个ISSR引物共扩增出149条DNA片段, 其中143条具有多态性, 多态性比率(PPB)为95.97%; 平均多态信息量(PIC)为0.90; 每个位点有效等位基因数(Ne)为1.914; 材料间遗传相似系数GS变幅为0.44~0.91, 平均达0.73。通过聚类, 从分子水平对樱桃种质资源的遗传关系进行分析, 并对34份资源进行分类, ISSR标记能将34份樱桃种质完全区分开, 为樱桃种质资源的研究利用提供参考。

关键词 [樱桃](#); [ISSR](#); [遗传多样性](#); [聚类分析](#)

分类号

DOI:

对应的英文版文章: [20085649](#)

通讯作者:

刘庆忠 gqliu@sdip.cn

作者个人主页: [艾呈祥¹](#); [张力思¹](#); [李国田¹](#); [魏海蓉¹](#); [樊靖²](#); [刘庆忠¹](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(529KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“樱桃: ISSR; 遗传多样性; 聚类分析”的 相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [艾呈祥](#)
- [张力思](#)
- [李国田](#)
- [魏海蓉](#)
- [樊靖](#)
- [刘庆忠](#)