



首页

组织架构

科学研究

科技服务

人才教育

国际合作

条件平台

期刊学会

党建文化

不忘初心 砥砺前行

新闻中心

NEW VARIETIES

所内新闻

通知公告

信息公示

科研进展

专家观点

媒体报道

新技术

党政动态

视频中心

产业专家团

联系方式

所内新闻

当前位置: 首页 > 新闻中心 > 所内新闻

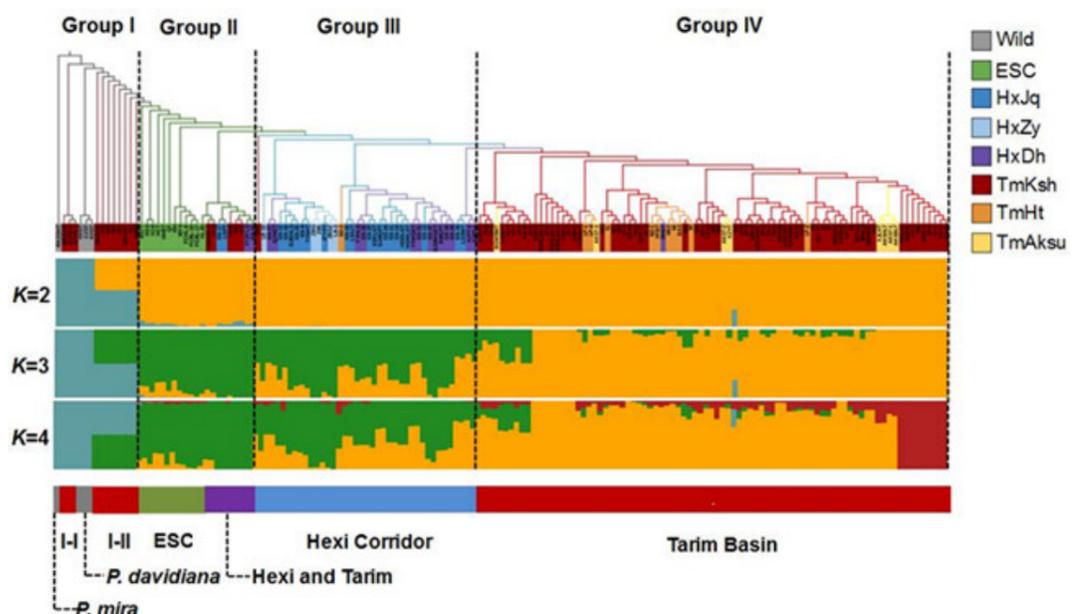
桃资源与育种团队揭示西北地区桃遗传多样性特征

来源: 桃种质资源课题组 作者: 李勇 2023-08-07 12:01:00 浏览量: 800

近日, 中国农业科学院郑州果树研究所桃资源与育种团队利用群体遗传分析揭示了我国西北地区桃遗传多样性特征和桃向西传播历史, 为我国西北地区桃种质资源的保护、开发和利用提供理论支撑。相关研究成果发表在《园艺植物学报 (Horticultural Plant Journal) 》上。

桃起源于我国, 河西走廊和塔里木盆地是我国西北桃种质资源的集中分布地, 地方品种类型最为丰富。然而, 该地区桃种质资源来源不明, 多样性水平不清楚, 严重阻碍了西北地区桃种质资源的有效开发和利用。该研究通过亲缘关系和群体结构进行分析, 将161份桃种质划分为野生近缘种, 华东华南品种群, 河西走廊品种群和塔里木盆地品种群。基因组分析发现河西走廊及塔里木盆地桃遗传多样性低于野生种和华东华南地方品种的原因是末次冰期引起的种群规模锐减。全基因组受选择基因富集分析表明, 河西走廊群体受选择基因主要富集在水杨酸信号通路和对胁迫响应, 塔里木盆地群体主要富集在核苷酸合成及修复通路, 这些通路都与响应胁迫相关, 表明在驯化过程中, 河西走廊和塔里木盆地的桃受到了更多来自环境压力的选择。

博士生李文清为论文第一作者, 王力荣研究员为该论文通讯作者。该研究获得国家重点研发计划 (2019YFD1000200, 2021YFD1200200)、中国农业科学院农业科技创新工程 (CAAS-ASTIP-2021-ZFRI-01)、农作物物种保护项目 (2016NWB041) 及国家园艺种质资源库的材料和数据支撑。(通讯员: 齐文莉)



分享:

上一篇: 新疆桃高产高效集成技术集成模式研究与示范观摩会在昆玉市召开

下一篇: 郑果所举办全国果树品种登记技术培训班

地址：郑州市管城区未来路南端 电话：0371—65330976

Copyright @ 中国农业科学院郑州果树研究所 豫ICP备05012848号-1

技术支持：中国农业科学院农业信息研究所

