

无栏目

中国大豆(Glycine max)核心种质构建 I .取样方法研究

邱丽娟 中国农业科学院作物品种资源研究所

邱丽娟 中国农业科学院作物品种资源研究所/农业部作物种质资源与生物技术重点开放实验室 北京100081

曹永生 中国农业科学院作物品种资源研究所/农业部作物种质资源与生物技术重点开放实验室 北京100081

常汝镇 中国农业科学院作物品种资源研究所/农业部作物种质资源与生物技术重点开放实验室 北京100081

周新安 中国农业科学院油料作物研究所 武汉500082

王国勋 中国农业科学院油料作物研究所 武汉500082

孙建英 中国农业

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以 2 3 587份中国栽培大豆为试验材料,根据农艺性状,用 2 0种方法构建了大豆初级核心种质,对 3种分层法、3种确定取样数法和 2种个体选择法进行了比较,明确了栽培大豆核心种质构建的适宜取样方法和取样比例。不同取样方法与总体都进行了品种分类数、各性状符合度、数量性状平均数、各性状多样性指数方差和平均品种距离共 5个指标的比较分析,结果表明,三层次取样方法(品种分类法)对总体的代表性优于二层次或一层次取样法,按比例和平方根确定取样数方法对总体的代表性优于多样性指数法,聚类选择的方法对

关键词 [中国,大豆,核心种质,取样方法](#)

分类号 [1449](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [邱丽娟 中国农业科学院作物品种资源研究](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(487KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“中国,大豆,核心种质,取样方法”的 相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [邱丽娟 中国农业科学院作物品种资源研究](#)