

无栏目

中国大豆(Glycine max)核心种质构建 I .取样方法研究

邱丽娟,曹永生,常汝镇,周新安,王国勋,孙建英,谢华,张博,李向华,许占有,刘立宏

中国农业科学院作物品种资源研究所/农业部作物种质资源与生物技术重点开放实验室

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以 2 3 587 份中国栽培大豆为试验材料,根据农艺性状,用 2 0 种方法构建了大豆初级核心种质,对 3 种分层法、3 种确定取样数法和 2 种个体选择法进行了比较,明确了栽培大豆核心种质构建的适宜取样方法和取样比例。不同取样方法与总体都进行了品种分类数、各性状符合度、数量性状平均数、各性状多样性指数方差和平均品种距离共 5 个指标的比较分析,结果表明,三层次取样方法(品种分类法)对总体的代表性优于二层次或一层次取样法,按比例和平方根确定取样数方法对总体的代表性优于多样性指数法,聚类选择的方法对总体的代表性优于随机选择方法。在 2 0 种方法不同取样比例条件下,方法 17 的平均品种距离降低幅度大于方法 15。因此,利用品种分类法进行分层,用比例法确定取样数目,根据聚类结果进行个体选择的方法 15 是构建大豆初级核心种质的最佳方法。用最佳方法构建的初级核心种质,比较不同取样比例的品种平均距离,确定品种平均距离由缓慢降低到明显降低点(9.0%)为适当的取样比例

关键词 [中国](#) [大豆](#) [核心种质](#) [取样方法](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 邱丽娟;曹永生;常汝镇;周新安;王国勋;孙建英;谢华;张博;李向华;许占有;刘立宏

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(487KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“中国”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [邱丽娟](#)
- [曹永生](#)
- [常汝镇](#)
- [周新安](#)
- [王国勋](#)
- [孙建英](#)
- [谢华](#)
- [张博](#)
- [李向华](#)
- [许占有](#)