

作物遗传育种·种质资源·分子遗传学

中国黍稷核心种质的构建

胡兴雨, 王纶, 张宗文, 陆平, 张红生

南京农业大学农学院/作物遗传与种质创新国家重点实验室

收稿日期 2008-5-19 修回日期 网络版发布日期 2008-11-10 接受日期 2008-12-1

摘要

【目的】构建黍稷种质资源的核心种质。**【方法】**以中国黍稷种质资源数据库中记录的8 016份黍稷资源为材料,按地理来源划分成23个组。各组内在11个表型性状聚类的基础上,按比例法取样,并依各组的遗传多样性指数进行适当调整,构建黍稷核心种质。通过对核心种质各性状特征值、符合率、遗传多样性指数的t检验来检测核心种质。**【结果】**780份资源组成的初选核心种质占原始材料的9.73%。对构建的核心种质多项参数进行了评价。**【结论】**本研究建立的核心种质是有效的,初选种质较好地代表了供试种质。

关键词 [黍稷](#) [种质资源](#) [核心种质](#) [遗传多样性指数](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

张红生 hszhang@njau.edu.cn

作者个人主页:

胡兴雨;王纶;张宗文;陆平;张红生

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(375KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“黍稷”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [胡兴雨, 王纶, 张宗文, 陆平, 张红生](#)