

农业生物技术科学

药用野生稻有利基因发掘与利用研究进展

张欢欢¹,刘蕊²,郭海滨³,李亚娟¹

- 1. 华南农业大学
- 2. 华南农业大学农学院作物遗传育种系
- 3. 华南农业大学公共基础课实验教学中心

摘要:

药用野生稻具有丰富的遗传多样性并含有大量优异基因。对药用野生稻的利用主要存在遗传学背景不清楚、常规育种效率不高两方面的障碍。这些问题可以通过构建药用野生稻可转化大片段基因组文库和转基因技术,将大片段克隆导入栽培稻中,建立全基因组基因嵌入突变体库来解决。本文对国内外药用野生稻有利基因发掘及其利用的研究进展进行综述。

关键词: 药用野生稻 基因组文库 优异基因

Advancement on mining and utilization of elite genes in *Oryza officinalis* Wall

...

Abstract:

Oryza officinalis Wall accumulated abundant genetic diversity and contains a large number of important beneficial genes. The indistinct molecular genetics background of *Oryza officinalis* Wall and the low efficiency of conventional breeding were two obstacles on the utilization of *Oryza officinalis* Wall. By using transgenic technology to transfer large fragment to cultivated rice to buiding gene insertion mutant libraries and transformation-competent large fragment libraries of wild rice, these problem were resolved. In this paper the author summarized the research of excellent genes in *Oryza officinalis* Wall and utilization of those genes

Keywords: *Oryza officinalis* Wall Genomic Library valuable genes

收稿日期 2009-06-03 修回日期 2009-06-25 网络版发布日期 2009-10-05

DOI:

基金项目:

利用药用野生稻TAC文库创建水稻抗性新种质;利用药用野生稻TAC文库创建水稻抗性新种质

通讯作者: 李亚娟

作者简介:

作者Email: liyajuan@scau.edu.cn

参考文献:

本刊中的类似文章

- 1. 唐爽,安志兴,张明烽,宋红卫,张涌.山羊基因组文库的构建研究[J].中国农学通报,2005,21(10):19-19
- 2. 张鹏,李金泉.利用连锁不平衡发掘作物种质资源中优异基因的研究进展[J].中国农学通报,2009,25(08):34-37

扩展功能

本文信息

- Supporting info
- PDF(522KB)
- [HTML全文]
- 参考文献[PDF]
- 参考文献

服务与反馈

- 把本文推荐给朋友
- 加入我的书架
- 加入引用管理器
- 引用本文
- Email Alert
- 文章反馈
- 浏览反馈信息

本文关键词相关文章

- 药用野生稻
- 基因组文库
- 优异基因

本文作者相关文章

- 张欢欢
- 刘蕊
- 郭海滨
- 李亚娟

PubMed

- Article by Zhang,H.H
- Article by Liu,j
- Article by Guo,H.B
- Article by Li,Y.J

反馈人	<input type="text"/>	邮箱地址	<input type="text"/>
反馈标题	<input type="text"/>	验证码	<input type="text" value="1899"/>
反馈内容	<input type="text"/>		