



快捷导航

zin1234

郑甲成

日期:2024-03-29 作者: 点击:2915次

郑甲成，博士，副教授，硕士生导师。农业部农业技术指导员，安徽省蚌埠市禹会区科技特派团团长，兼科技特派员，蚌埠市首批“双链”融合专员，蚌埠市人民检察院公益诉讼检察智库基地专家，作物学会和中国草学会会员，校级教坛新秀，校（龙子湖区）侨联秘书长，课程思政优秀教师。主要从事小麦、高粱等作物遗传育种研究，在安徽省成果登记12项，参编专著2部，累计发表论文30余篇。获陕西省的省级科技成果推广奖1项，安徽省的省级教学成果奖1项，校级教学成果奖2项，参加校级教学竞赛（优秀案例）获奖5项。指导多项国家级、省级大学生创新课题和大学生“双创”竞赛，多次被评为优秀毕业论文（设计）指导教师，指导的研究生多次获一等奖学金和“优秀研究生”称号。



[教育经历]

- 2003.09-2007.07, 甘肃农业大学农学本科生;
- 2007.09-2010.07, 西北农林科技大学农学硕士研究生;
- 2010.09-2015.07, 西北农林科技大学农学博士研究生;
- 2008.06-2010.07, 中国农业科学院作物科学研究所联培硕士;
- 2013-2014, 英国洛桑研究所植物科学系联培博士。

[研究方向]

作物种质资源创制和生物育种研究，以及相关分子调控机理解析。

[主讲课程]

试验统计方法、作物育种学II、农学专业英语、智慧农业和科技论文写作（研究生）等。

[部分科研项目]

- [1]蛋白激酶TaERECTA介导调控小麦光能资源利用效率的作用机制, KJ2018A0538, 安徽省教育厅, 2018.01-2019.12, 主持
- [2]高温胁迫下TaERECTA调控小麦光合能力的作用机制研究, NELCOF20190106, 作物抗逆育种与减灾国家地方联合工程实验室, 2019.10-2021.10, 主持
- [3]SbERECTA基因克隆及其调控高粱组织细胞生长的机理研究, gxyq2020039, 高校优秀青年人才支持计划, 2020.09-2022.08, 主持
- [4]沿淮弱筋优质小麦新品种选育及产业化生产应用, 2022ny02, 蚌埠市科技计划, 2022.06-2025.06, 主持
- [5]沿淮优质小麦新品种选育及产业化生产应用, 2023tpt035, 安徽省科技厅, 2023.01-2024.12, 主持
- [6]超表达SbER10_X1促进高粱表皮细胞生长和种子结实的机制研究, 2022AH051649, 安徽省教育厅, 2023.01-2024.12, 主持
- [7]蛋白激酶TaER调控小麦高温抗性的分子机制研究, 青年骨干教师境内访学研修, 2024.01-2024.12, 主持
- [8]高产、优质、多抗小麦新品种选育及推广应用, GXXT-2023-103, 高校协同创新, 2024.01-2026.12, 参与主持
- [9]粮食作物（水稻和小麦）非生物逆境抗逆丰产增效共性关键技术研究, 2017YFD0301301, 国家重点研发计划, 2017.01-2020.12, 骨干参与
- [10]麦-玉全苗壮苗群体构建与抗逆促生补偿技术集成, 2018YFD0300902, 国家重点研发计划, 2018.07-2020.12, 骨干参与

[部分教研项目]

- [1]基于超星“学习通”APP的移动互联网型教学模式探索与实践, X2017053, 校级教学研究项目, 2017.12-2019.12, 主持
- [2]试验统计方法, Xj201949, 校级智慧课堂, 2019.12-2021.12, 主持
- [3]产教融合背景下基于“学习通”平台的农科教协同创新人才培养改革与实践, X202013, 校级教学研究项目, 2021.01-2022.12, 主持
- [4]智慧农业, 2022szsfkc128, 省级研究生课程思政示范课程, 2022.12-2024.12, 主持
- [5]产教融合背景下基于“学习通”平台的农科教协同创新人才培养模式探索与实践, 2022jyxm365, 省级教学研究项目, 2023.04-2025.04, 主持
- [6]安徽科技学院安徽省金海种业有限公司耕读教育实践基地, Xj2023101, x校耕读教育实践基地, 2023.09-2025.08, 主持

[代表性论文]

[2]Zheng jia cheng, Huang xiao yi, Li jie qin, He qing yuan, et al. Enhanced biomass and thermotolerance of Arabidopsis by SiRECTA isolated from Setaria italica L. *Peer J*, 2022, 10: e14452.

[3]Zheng jia cheng, Zhang hong, Yu Jie, Zhan qiu wen, et al. Late sowing and nitrogen application to optimize canopy structure and grain yield of bread wheat in a fluctuating climate. *Turk J Field Crops*, 2021, 26(2), 170-179.

[4]Zheng jia cheng[†], Yu jie[†], Liu ting[†], Wang xin, et al. Identification and expression characterisation of SbRECTA family genes in Sorghum bicolor. *Crop Pasture SCI.*, 2021, 72(2): 125-135.

[5]Zheng jia cheng[†], Liu ting[†], Qian yu chen, Li jie qin, et al. Assessment of Genetic Diversity of Sweet Sorghum Collection using phenotypic variation and SSR markers. *Pak. J. Bot.*, 2021, 53(1): 145-153.

[6]Wang zhi qi[†], Yu tai fei[†], Sun guo zhong[†], Zheng jia cheng, Xu zhao shi*, et al. Genome-wide Analysis of the Catharanthus roseus RLK1-like in Soybean and GmCrRLK1L20 Responds to Drought and Salt Stresses. *Front. Plant SCI*, 2021, 12:614909.

[7]Li bo[†], Zheng jia cheng[†], Wang ting ting[†], Xu zhao shi, et al. Expression analyses of soybean VOZ transcription factors and the role of GmVOZ1G in drought and salt stress tolerance. *Int. J. Mol. Sci.*, 2020, 21, 2177.

[8]Gao yuan[†], Ma jian[†], Zheng jia cheng[†], Xu zhao shi, et al. The Elongation Factor GmEF4 Is Involved in the Response to Drought and Salt Tolerance in Soybean. *Int. J. Mol. Sci.*, 2019, 20(12): 3001.

[9]Zheng jia cheng, Liu ting, Li jie qin, Wang xin, et al. Virus-induced Gene Silencing of TaRECTA Increases Stomatal Density in Bread Wheat. *Cereal Res. Commun.*, 2019, 47(1): 67-77.

[10]Zhou shuo[†], Zheng wei jun[†], Liu bao hua, Zheng jia cheng, Xu zhao shi, et al. Characterizing the Role of TaWRKY13 in Salt Tolerance. *Int. J. Mol. Sci.*, 2019, 20: 5712.

[11]Zhao meng jie[†], Yin li juan[†], Ma jian[†], Zheng jia cheng, Xu zhao shi, et al. The Roles of GmERF135 in Improving Salt Tolerance and Decreasing ABA Sensitivity in Soybean. *Front. Plant SCI*, 2019, 10: 940.

[12]Zhao meng jie[†], Yin li juan[†], Liu ying[†], Ma Jian, Zheng jia cheng, et al. The ABA-induced soybean ERF transcription factor gene GmERF75 plays a role in enhancing osmotic stress tolerance in Arabidopsis and soybean. *BMC Plant Biol.*, 2019, 19: 506.

[13]Zheng jia cheng, Parry martin, Hu yin gang, et al. TaER expression is associated with transpiration efficiency traits and yield in bread wheat. *PLoS One*, 2015, 10: e0128415.

[14]Yang zhi yuan, Zheng jia cheng, Chen yao feng, Hu yin gang, et al. Effects of the GA-responsive dwarfing gene Rht18 from tetraploid wheat on agronomic traits of common wheat. *Field Crops Res.*, 2015, 183: 92-101.

[15]郑甲成, 余婕, 李凡, 黄小奕, 等. SbER10_X1调控饲用高粱光合作用和生物产量的功能特性分析[J]. 草业学报, 2023, 32(04): 91-100.

[16]郑甲成, 詹兰兰, 刘婷, 詹秋文, 等. 有机肥和茉莉酸甲酯配施对水稻产量和品质的影响[J]. 云南农业大学学报(自然科学), 2020, 35(03): 519-525.

[17]郑甲成, 周磊, 钱宇宸, 刘婷, 詹秋文, 等. ERECTA调控植物细胞生长功能的研究进展[J]. 分子植物育种, 2020, 18(09): 2922-2929.

[18]郑甲成, 刘婷, 李杰勤, 詹秋文, 等. 盐胁迫对TaRECTA转基因小麦种子萌发和幼苗生理特性的影响[J]. 云南农业大学学报(自然科学), 2019, 34(06): 922-927.

[19]郑甲成, 刘婷, 李杰勤, 詹秋文, 等. 花期高温胁迫下TaRECTA基因对小麦生理特性和光合作用的影响[J]. 麦类作物学报, 2019, 39(01): 35-41.

[20]郑甲成, 刘婷, 李杰勤, 詹秋文, 等. 高温胁迫下TaRECTA基因对小麦幼苗抗氧化酶活性的影响[J]. 甘肃农业大学学报, 2018, 53(03): 64-69.

【发布的主推技术】

- [1]饲用高粱高产高效栽培与青贮利用技术, 畜牧业类主推技术操作规范, 2023.04, 第一
- [2]稻茬弱筋小麦优质丰产绿色栽培技术, 种植业类主推技术操作规范, 2023.04, 参与

【发明专利】

- [1]一种用于小麦耐高温作用机制研究的高温催芽设备, 2022.05.31
- [2]用于研究高温灾害对小麦光合能力受阻影响的实验装置, 2022.07.15
- [3]一种批量鉴定小麦耐盐性的装置及方法, 2022.09.02,
- [4]一种在小麦地套种多种农作物的种植方法, 2023.09.12,
- [5]A Method for Determination of Soluble Sugar Content in Stem Samples of Sweet Sorghum, 2020.07.30

【联系方式】

通讯地址: 安徽省滁州市凤阳县东华路9号西区躬行楼6202 邮编: 233100
Email: zhengjiachengx2016@126.com;
Email: zhengjc@ahstu.edu.cn

上一篇

下一篇

