



副高级

正高级

副高级

中级



副高级

当前位置: 首页 >> 师资队伍 >> 副高级 >> 正文

祝志欣

2022年11月11日 17:03

一、基本情况

职称: 副教授, 硕士生导师
邮箱: zhxzhu@126.com
研究领域: 花青素、类黄酮等次生代谢途径
甘薯种质资源收集、保存与评价
招生专业: 园艺学, 农艺与种业



教育背景:

2007年9月至2015年7月, 中国科学院植物研究所, 植物学专业, 博士
2003年9月至2007年7月, 武汉大学, 生命科学与技术基地班, 本科

工作经历:

2020年1月 至今, 海南大学, 副教授
2015年9月 至 2019年12月, 海南大学, 讲师

二、科研概况

科研项目:

1. 国家自然科学基金地区科学基金项目, No. 32260775, IbSPL9和IbHY5协同调控甘薯叶片花青素积累的机理研究, 2017-01至2020-12, 33万, 主持, 在研
2. 海南省院士创新平台科研专项任务, 适合海南叶菜资源筛选应用及重要品质性状基因挖掘与功能鉴定, YSPTZX202206, 2022-03至2025-03, 200万, 参与(子课题4负责人, 50万), 在研
3. 海南省科技厅, 海南省自然科学基金(高层次人才项目), 321RC474, 光照和发育对甘薯叶花青素积累的影响及其分子机理, 2021-09至2024-06, 8万, 主持, 在研
4. 国家自然科学基金地区科学基金项目, 甘薯叶类黄酮积累模式研究及其关键 MYB 类转录因子发掘, No. 31660074, 2017-01至2020-12, 39万, 主持, 已结题
5. 海南省自然科学基金项目, 甘薯花青素、黄酮等抗氧化成分的积累模式研究, No. 317012, 2017.1-2018.12, 8万, 参与, 已结题

代表性成果:

1. Wu, Q., X. Fu, Z. Chen, H. Wang, J. Wang, Z. Zhu* and G. Zhu* (2022). Composition, color stability and antioxidant properties of betalain-based extracts from bracts of Bougainvillea. *Molecules* 27(16).
2. Fu X, Wu Q, Wang J, Chen Y, Zhu G, Zhu Z* (2021) Spectral characteristic, storage stability and antioxidant properties of anthocyanin extracts from flowers of butterfly pea (*Clitoria ternatea* L.). *Molecules* 26: 7000
3. 石婕, 符雪影, 吴强, 梁清干, 朱国鹏, 祝志欣* (2021). 甘薯叶片的抗氧化活性和相关成分比较. *热带生物学报*, 12(04): 466-472
4. Deng, J., D. Wu, J. Shi, K. Balfour, H. Wang, G. Zhu, Y. Liu, J. Wang, Z. Zhu* (2020). Multiple MYB activators and repressors collaboratively regulate the juvenile red fading in leaves of sweetpotato. *Frontiers in Plant Science* 11: 941
5. 邓吉良^(#), 孙言博, 吴跃, 黄绵佳, 周其良, 朱国鹏, 祝志欣^(*). 基于 SSR 对海南地区甘薯品种的亲缘关系分析[J]. *南方农业学报*, 2018, 49(10): 1924-1932
6. 吴丹宁^(#), 杨海洋, 邓吉良, 薛丙涛, 刘永华, 朱国鹏, 祝志欣^(*). 热水处理对甘薯贮藏品质和生理指标的影响[J]. *食品科技*, 2018(12): 43-49
7. 陈曦^(#), 邓吉良, 陈日东, 周其良, 朱国鹏, 祝志欣^(*). UV-C 处理对甘薯贮藏品质的影响研究. *热带作物学报*, 2019: 1-9
8. 祝志欣, 鲁迎青* (2016). 花青素代谢途径与植物颜色变异. *植物学报* 51: 107-119
9. Zhu ZX, Wang HL, Wang YT, Guan S, Wang F, Tang JY, Zhang RJ, Xie LL, Lu YQ* (2015). Characterization of the cis elements in the proximal promoter regions of the anthocyanin pathway genes reveals a common regulatory logic that governs pathway regulation. *Journal of Experimental Botany* 66, 3775-3789
10. Wang HL[#], Guan S[#], Zhu ZX[#], Wang Y, Lu YQ* (2013). A valid strategy for precise identifications of transcription factor binding sites in combinatorial regulation using bioinformatic and experimental approaches. *Plant Methods* 9:34

