



研究队伍

团队简介

研究团队

科研人员

管理服务人员

科研助理

当前位置： 首页 > 研究队伍 > 研究团队 > 科研人员 > 正文 >

张海琴

时间： 2018-09-26 点击次数： 7756次



姓名： 张海琴

e-mail: haiqinzhang@163.com

个人简历：

1995-1999年，浙江师范大学生物学专业，学士

1999-2002年，四川农业大学生物化学与分子生物学专业，硕士

2002-2006年，四川农业大学作物遗传育种专业，博士

2005-至今，四川农业大学小麦研究所工作，教授/博导

2012-2013年，美国威斯康辛大学麦迪逊分校，访问学者

2015-2017年，四川省雅安市雨城区人民政府，副区长（挂职）

荣誉称号：

全国优秀博士学位论文提名获得者；四川省学术和技术带头人后备人选。

主持项目：

时间	项目类型	项目名称	主持/主研
2019. 01- 2022. 12	国家自然科学基金面上	小麦族天然杂种的起源及优异种质创制	主持
2017. 01- 2018. 12	四川省科技厅农业科技成果转化	优质禾本科牧草品种川中鹅观草的试验示范	主研
2017. 01- 2018. 12	四川省科技厅科技基础条件平台	西南区主要粮食作物种质资源库的建立及共享利用	主持
2017. 01- 2020. 12	国家自然科学基金面上	利用鹅观草高密度遗传图谱定位抗条锈病基因 <i>YrK1007</i>	主持
2010. 07-	农业部公益性行业（农业）专项子课题	小麦近缘野生植物资源保护和利用研究	主持

2014. 12			
2010. 01- 2012. 12	国家自然科学青年基金	小麦族StH基因组遗传变异及其分化研究	主持

主要成果:

第一或通讯作者在Plant Cell、Chromosome Res、Plant Biol、Plant Syst Evol等杂志发表论文26篇，选育国审牧草新品种2个，获四川省科技进步二等奖1项（排名第三）。

招生专业:

植物学（博士/硕士）和作物（专业硕士）

实验室成员:

龙丹（科研助理）、叶美金（2017级博士）、谭露（2017级博士）、瞿星光（2016级硕士）、于正豪（2016级硕士）、候晨曦（2017级硕士）、朱晓霞（2017级硕士）、郑子略（2017级硕士）、陈晨（2017级硕士）、杨巽喆（2018级硕士）、邓雪雪（2018级硕士）、罗粤川（2018级硕士）

已毕业研究生:

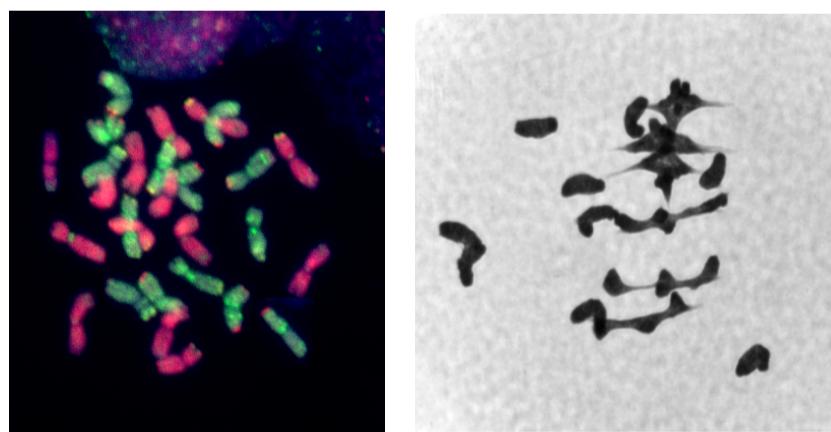
雷映霞（西南民族大学博士后）、杨财容（成都师范学院教师）、刘欢（生物公司）、黎琦（生物公司）、余快（贵州习水县绿洲高中教师）、朱爱孺（上海匠簇科技有限公司）、崔忠刚（达州市农科所）、范学梅（宜宾市南溪区农业局）、赵富强（诺禾致源公司）、孙宗华（宣汉二中教师）、刘晓燕（福建农林大学科研助理）、焦振飞（河南省内黄县后河镇人民政府党政办）、陈韦寰（培训班老师）、张玥（中国移动成都分公司）、姜子小（西南大学读博）、邓梦秋（广元川师大万达中学教师）



主要研究方向:

1. 小麦族系统与进化

禾本科小麦族中，大约包含30个属，350~450种，广泛分布于世界各地，是世界重要的粮食作物和饲用植物。由于物种繁多，生态环境复杂，加之各属、种间存在天然杂交，使得小麦族各属种间的系统关系、分类地位极为复杂。我们利用细胞学、细胞遗传学、分子细胞遗传学、分子生物学等不同方法，探讨小麦族多年生物种基因组组成，属种间系统关系，明确各属、种的分类地位。目前我们已探明5种小麦族物种基因组组成，发表新属1个、新组合4个。



2. 优质牧草选育

禾本科小麦族中，许多物种具有重要的饲用价值，是草原和草甸的重要组成部分。我们选育适合成都平原及川西高原的优质牧草，培育高产、优质、高效牧草新品种。选育出国审牧草新品种2个，参加国家草品种区域试验新品系1个。



鹤观草新品种——川中鹤观草

川中鹤观草简介

品种特性：

禾本科多年生草本，株高90-130cm，分蘖18-25个，粗蛋白含量24%。鲜草产量1200-1600 kg/亩，干草产量345-361 kg/亩。再生力强，一年可刈割1-2次。秋播，生育期200-235天。

饲用价值：

川中鹤观草粗蛋白含量达24.6%，粗脂肪31g/kg，粗纤维21.9%，中性洗涤纤维46%，酸性洗涤纤维33.3%，粗灰分13.3%，钙含量1.97%。叶多质嫩，适口性好，可直接喂养牛、羊、兔、鹅等。

适应区域：

适于我国长江流域亚热带海拔500-2500m的丘陵、平坝、林下和山地地区。可充分利用沟边地、开荒耕地、复耕地等土地种植，也可用于退耕还草和水土保持等。

主要论文

1. Zhang HQ, Koblížková A, Wang K, Gong ZY, Oliveira L, Torres G A, Wu YF, Zhang WL, Buell CR, Macas J, Jiang JM. Boom-bust turnovers of megabase-sized centromeric DNA in *Solanum* species: Rapid evolution of DNA sequences associated with centromeres. *The Plant Cell*, 2014, 26(4): 1436-1447.
2. Zhang HQ, Yang RW, Dou QW, Tsujimoto H, Zhou YH. Genome constitution of *Hystrix patula*, *Hystrix duthiei* ssp. *duthiei* and *Hystrix duthiei* ssp. *longearistata* (Poaceae: Triticeae) revealed by meiotic pairing behaviour and genomic in situ hybridization. *Chromosome Research*, 2006, 14 (6) : 595-604
3. Lei YX, Liu J, Fan X, Sha LN, Wang Y, Zhou YH, Zhang HQ*. Phylogeny and maternal donor of *Roegneria* and its affinitive genera (Poaceae: Triticeae) based on sequence data for two chloroplast DNA regions (*ndhF* and *trnH-psbA*). *Journal of Systematics and Evolution*, 2018, 56(2): 105-119.
4. Lei YX, Liu J, Fan X, Sha LN, Wang Y, Kang HY, Zhou YH, Zhang HQ*. Phylogeny and molecular evolution of the *DMC1* gene in the polyploid genus *Roegneria* and its affinitive genera (Poaceae: Triticeae). *Botanical Journal of the Linnean Society*, 2017, 186(1): 129-142.
5. Zhao FQ, Li Q, Chen GY, Li J, Kang HY, Wang Y, Fan X, Sha LN, Zhou YH, Zhang HQ*. Stripe rust resistance in *Roegneria kamoji* (Poaceae: Triticeae) and its genetic analysis. *Journal of Phytopathology*, 2017, 165(3): 157-161.
6. Lei YX, Zhang Y, Li YY, Fan X, Sha LN, Wang Y, Kang HY, Zhou YH, Zhang HQ*. Phylogenetic analysis of the species with awnless lemma in *Roegneria* (Poaceae, Triticeae) based on single copy of nuclear gene *DMC1*. *Biochemical Systematics and Ecology*, 2016, 65: 185-191.
7. Lei YX, Yu K, Wang Y, Fan X, Kang HY, Sha LN, Zhou YH, Zhang HQ*. Molecular cloning of HMW glutenin subunits from *Roegneria kamoji* Keng (Poaceae: Triticeae). *Biologia*, 2016, 71 (4): 414-420.
8. Zhang HQ, Yang RW, Yang CR, Huang Y, Fan X, Sha LN, Kang HY, Wang Y, Zhou YH. What became of *Hystrix*? *Journal of Systematics and Evolution*, 2014, 52(6): 712-715
9. Zhang HQ, Bai X, Lu BR, Connor H.E., Zhou YH. Genomic constitution of the allooctoploid *Elymus tenuis* (Poaceae: Triticeae) of New Zealand. *Australian Systematic Botany*, 2010, 23(5): 381-385.
10. Zhang HQ, Fan X, Sha LN, Kang HY, Wang XL, Zhou YH. Morphological variation in *Elymus hystrix* L. (Poaceae: Triticeae). *Caryologia*, 2010, 63(4): 359-366.
11. Zhang HQ, Zhou YH. Genetic relationships among *Hystrix patula*, *H. duthiei* and *H. longearistata* (Poaceae: Triticeae) according to meiotic studies and genome-specific RAPD assay. *Biologia Plantarum*, 2009, 53(1): 45-52.
12. Zhang HQ, Yang RW, Zhang L, Ding CB, Zeng J, Zhou YH. Genetic diversity and phylogeny in *Hystrix* (Poaceae: Triticeae) and the related genera inferred from Giemsa C-banded karyotypes. *Genetics and Molecular Biology*, 2009, 32(3): 521-527.
13. Zhang HQ, Fan X, Sha LN, Zhang C, Yang RW, Zhou YH. Phylogeny of *Hystrix* and related genera (Poaceae: Triticeae) based on nuclear rDNA ITS sequences. *Plant Biology*, 2008, 10 (5): 635-642
14. Zhang HQ, Zhou YH. Meiotic analysis of the interspecific and intergeneric hybrids between *Hystrix patula* Moench and *H. duthiei* ssp. *longearistata*, *Pseudoroegneria*, *Elymus*, *Roegneria* and *Psathyrostachys* species (Poaceae, Triticeae). *Botanical Journal of the Linnean Society*, 2007, 153: 213-219
15. Zhang HQ, Zhou YH. Meiotic pairing behaviour reveals differences in genomic constitution between *Hystrix patula* and other species of genus *Hystrix* Moench (Poaceae, Triticeae). *Plant Systematics and Evolution*, 2006, 258: 129-136
16. 张海琴, 周永红, 郑有良, 杨瑞武, 丁春邦. 长芒雀草与华山新麦草属间杂种的形态学和细胞学研究. 植物分类学报, 2002, 40 (5) : 421-427
17. 焦振飞, 张昌兵, 孙宗华, 陈韦寰, 刘晓燕, 周永红, 张海琴*. 成都平原“川中”鹤观草高产栽培技术研究. 草学, 2018, 2: 33-40.
18. 赵富强, 张海琴*, 孙宗华, 焦振飞, 刘晓燕, 陈韦寰, 陈国跃, 周永红. 鹤观草不同居群条锈病和白粉病抗性评价. 草业学报, 2016, 25(4): 149-158

上一篇：蒋云峰

下一篇：颜济

Copyright undefined copy;2014 四川农业大学小麦研究所. All Rights Reserved. 网址: <http://xms.sicau.edu.cn/>

地址: 四川省成都市温江区惠民路211号 四川农业大学小麦研究所 邮编: 611130 电话: 028-82650350

巨高科技提供技术支持

