



“小麦核心种质有效利用”研讨会在京举行

2004-11-24 来源: 作物科学研究所

在国家973项目的资助下,我国已初步建立了小麦种质资源核心种质库;培育出了一批育种中间材料、重组近交系、近等基因系;发现了一批重要农艺性状的新基因和分子标记。为了促进上述材料及其信息、标记在我国小麦育种中的共享与利用,进一步探讨小麦种质资源与育种的合作途径,以期实现我国小麦育种的新突破,2004年11月4日-5日,在中国农科院作物科学研究所召开了“小麦核心种质有效利用”研讨会。

来自14个省市自治区、22个单位的46位小麦育种家与种质资源工作者参加会议,其中包括3位院士,29位研究员、教授。黄淮麦区、长江中下游冬麦区、北部冬麦区、西南冬麦区、东北春麦区、西北春麦区等6个麦区均有许多单位代表参加。参加单位中8个省农科院,4个农业大学,10个地市农科所,包括了我国的大部分小麦优势育种单位,具有较强的代表性。

我国著名的小麦育种家庄巧生院士和李振声院士、小麦品种资源专家董玉琛院士参加了会议,并在会议上作了重要报告,总结了小麦育种与小麦品种资源研究的经验,指出了今后的研究发向。作物科学研究所王述民副所长参加了会议并代表所领导大力支持会议的召开。作物科学所贾继增、张学勇和景蕊莲研究员作了用分子生物学技术进行小麦种质资源研究的报告。四川农大任正隆教授、江苏里下河地区农科所程顺和研究员作了小麦育种经验报告。各育种单位的代表畅所欲言,介绍了育种经验,提出了对小麦种质资源的要求,最后达成一致共识。

1. 加强资源工作者与育种工作者的合作十分重要,近年来由于种种原因,双方交流不够,此次会议开了个好头,今后应进一步加强这方面的合作,定期或不定期的召开学术讨论会,现场会,并通过网络加强信息交流。

2. 育种的成功是建立在对种质资源的占有及认识的基础上。微核心种质与应用核心种质及其信息的发放对我国小麦育种将具有重要的意义。应用有限回交法利用微核心种质有望给育种带来新突破。分子标记技术是目前种质资源与分子育种的重要工具,它对于深刻认识种质资源,加速育种进展,提高育种效率将产生重要的影响。

3. 育种家与资源工作者应加强合作,资源工作者根据育种家的需要开展工作,育种家应将资源利用情况以及种质资源研究利用过程中获得的新的信息及时反馈给资源工作者。建立起资源工作者与育种家互动的网络体系,对于促进种质资源研究利用的深入及信息共享将具有重要意义。

4. 在开发利用我国种质资源的同时,应注意加强我国种质资源的保护。同时还应加强国外种质资源的收集、研究与利用。

会上签署了小麦资源与育种单位合作协议书。介绍了微核心种质、部分应用核心种质及近等基因系的信息,发放了小麦微核心种质3890份次,高代材料7990份次,应用核心种质684份次,近等基因系26份次,合计12590份次。育种家表示将充分利用这批宝贵材料,并及时反馈使用和鉴定信息。

