

【作者】	王伟, 杨文鹏, 关琦, 张文龙, 戴保威
【单位】	贵州大学农学院, 贵州贵阳
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	11
【发表页码】	4459-4464, 4493
【关键字】	玉米; SSR; 技术规程; 优化
【摘要】	<p>[目的] 建立玉米SSR标记技术操作规程, 为其在生产中应用提供参考。</p> <p>[方法] 以2个玉米杂交种(黔单16号、西山99)和4个玉米自交系(苏37、交51、黄C、4011)为试材, 从玉米中提取基因组DNA, 分别对不同DNA提取方法、SSR反应体系、PCR扩增程序和银染方法进行比较。[结果] 采用SDS法、CTAB法提取DNA的扩增效果较好。玉米的最佳SSR反应体系为: 1U Taq 酶, 1×Bufer, 60 ng模板DNA, 2.0 mmol/L Mg²⁺, 0.15 mmol/L dNTPs, 0.3 μmol/L引物。最佳SSR扩增程序为: 93 °C, 1 min; 93 °C, 1 min; 60 °C, 2 min; 72 °C, 2 min, 30个循环; 72 °C, 5 min。用8%非变性聚丙烯酰胺凝胶或6%变性聚丙烯酰胺凝胶来检测玉米SSR标记较好。[结论] 采用优化的SSR标记检测体系, 对贵州51份玉米杂交种进行遗传多样性分析, 大多数引物扩出清晰条带。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭