


【作者】	赵新亮 , 陈士林
【单位】	西北农林科技大学, 陕西杨凌
【卷号】	35
【发表年份】	2007
【发表刊期】	7
【发表页码】	1921 - 1922 , 1938
【关键字】	玉米;SRAP 分子标记; 杂种优势群
【摘要】	以河南省常用的29 个玉米自交系为材料, 利用SRAP 分子标记技术对河南省玉米种质遗传多样性及杂种优势群进行划分, 对河南省主要的审定玉米品种亲本间遗传距离及杂种优势模式进行分析。结果表明:29 个玉米自交系比较丰富多态, 可分为四大类群, 7 个亚群, 分析结果与系谱亲缘关系基本一致。类间平均遗传相似系数均小于类内平均遗传相似系数, 分类合理。SRAP 标记可用于玉米杂种优势群的划分。
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

[关闭](#)