

李广贤<sup>1,2</sup> 屠国庆<sup>1</sup> 张克勤<sup>1</sup> 姚方印<sup>2</sup> 庄杰云<sup>1,\*</sup>

(1中国水稻研究所 国家水稻改良中心/水稻生物学国家重点实验室, 浙江 杭州 310006; 2山东省水稻研究所, 山东 济宁 272000)

摘要: 应用由704个株系组成的珍汕97A/(珍汕97B/密阳46)F6测交群体, 针对水稻第10染色体和第1、11染色体短臂构建了微卫星标记连锁图谱, 检测到控制野败型细胞质雄性不育育性恢复的4个QTL, 其中位于第10染色体长臂中下部的Rf4具有主效效应, 位于第1染色体短臂的Rf3具有较大效应, 位于第10染色体长臂近着丝粒处的qRf10和第11染色体短臂近着丝粒处的qRf11表现出微效作用。研究还表明, 在主效基因Rf4存在时, 其他3个基因仍具有提高结实率的作用, 但在Rf3和Rf4同时存在时, qRf10和qRf11的效应不明显。

关键词: 水稻; 野败型细胞质雄性不育; 育性恢复基因; 微卫星标记; 基因定位

中国水稻科学. 2005, 19(6): 506-510

.....  
.....