

李斌<sup>1</sup> 谢关林<sup>1,\*</sup> 吕意琳<sup>1</sup> 郝晓娟<sup>1</sup> 罗金燕<sup>1</sup> 刘波<sup>2</sup> 李雯<sup>1</sup>

(1浙江大学 水稻生物学国家重点实验室, 浙江 杭州 310029; 2福建省农业科学院 生物技术中心, 福建 福州 350003; \*通讯联系人, E-mail: glxie@zju.edu.cn)

摘要: 于1998~2004年对采自浙江、江苏、福建和云南省的756份稻株和稻种样本进行了革兰氏阳性细菌的分离、鉴定研究。被分离的1015个菌株经致病性测定、菌落形态及部分细菌学特征(革兰氏染色、KMB培养基上的荧光色素及芽孢的染色镜检等)测定后, 选出代表菌株74个连同5个对照菌株用Biolog及脂肪酸分析法(FAME)进行测试, 鉴定出Bacillus属5个种及其他3属的革兰氏阳性细菌, 并发现枯草芽孢杆菌和巨大芽孢杆菌菌株具有很好的纹枯病和恶苗病拮抗能力, 但来自短小芽孢杆菌和巨大芽孢杆菌的极少数菌株在条件适宜时能与其他病原菌一起引起水稻褐斑, 从这些种筛选生防菌株时应充分考虑其风险。

关键词: 细菌鉴定; 细菌种群; 拮抗细菌; 纹枯病; 恶苗病

中国水稻科学. 2006, 20(1): 84-88

.....  
.....