



师资队伍

农学系

作物育种与种子科学系

作物生物技术系

中药材系

作物学实验教学中心

国家小麦工程技术研究中心

作物育种与种子科学系

库丽霞

作者: admin 发布时间: 2016-12-15 04:34 点击数: 2714

库丽霞, 女, 汉, 1975年1月生, 河南濮阳人, 博士。

河南省高等学校青年骨干教师, 河南省高校创新人才, 河南省杰出青年。

研究领域: 玉米遗传育种及分子生物学

所授课程: 作物育种学, 种子政策与法规

E-mail: kulixia0371@163.com

教育与研究/工作经历

1994.09-1998.06 信阳师范学院 生物教育 学士

2001.09-2004.06 河南农业大学 作物遗传育种 硕士

2007.09-2010.06 河南农业大学 作物遗传育种 博士

1998.07-2001.08 濮阳县第一农业高中 中教二级

2004.07-2018.04 河南农业大学 助教, 讲师, 副教授

2018.04-至今 河南农业大学 教授

承担项目与课题

- 1、国家自然科学基金面上项目, 一个新的玉米光周期敏感性主效 QTL qDPS10-2 的图位克隆及功能分析, 2014-2017, 在研, 主持。
- 2、国家自然科学基金面上项目, 玉米叶夹角基因ZmCLA2-2的分子机制研究, 2016-2019, 在研, 主持。
- 3、河南省杰出青年基金, 玉米叶夹角关键的功能分析, 2016-2017, 在研, 主持。
- 4、河南省高校创新人才, 玉米叶夹角主效QTL qLA5-1候选基因的功能分析, 2013-2015, 已结题, 主持。
- 5、国家重点研发计划重大作物专项“小麦等作物功能基因组研究与应用”, 玉米AC/Ds突变体库的建与应用, 2016-2020, 在研, 子课题主持
- 6、国家重点研发计划重大作物专项“小麦等作物功能基因组研究与应用”, 玉米分子设计育种, 2016-2020, 在研, 子课题主持
- 7、国家自然科学基金重点项目, 玉米叶夹角形成的分子机理研究, 2013-2017, 在研, 参加
- 8、国家转基因生物新品种培育重大专项, 抗病虫、抗除草剂转基因玉米新品种培育, 2008-2020, 在研, 参与
- 9、河南省玉米产业体系, 河南省玉米产业体系首席专家, 2010-2019, 在研, 参与
- 10、国家重点研发计划, 黄淮海强优势玉米新品种选育, 2011-2015, 已结题, 参与

论文、论著与专利

1、论文

- (1) Ku L, Ren Z, Chen X, et al. Genetic analysis of leaf morphology underlying the plant density response by QTL mapping in maize (Zea mays, L.)[J]. Molecular Breeding, 2016, 36(5):63. (SCI, 第一作者)
- (2) Ku L, Tian L, Su H, et al. Dual functions of the ZmCCT-associated quantitative trait locus flowering and stress responses under long-day conditions[J]. BMC Plant Biology, 2016, 16(1):239. (SCI, 第一作者)
- (3) Shi Y, Li G, Tian Z, et al. Genetic dissection of seed vigour traits in maize (Zea mays L.)



- under low-temperature conditions.[J]. *Journal of Genetics*, 2016, 95(4):1-6. (SCI,通讯作者)
- (4) Ku L, Zhang L, Tian Z, et al. Dissection of the genetic architecture underlying the plant density response by mapping plant height-related traits in maize (*Zea mays* L.).[J]. *Molecular Genetics and Genomics*, 2015, 290(4):1223-1233. (SCI,第一作者)
- (5) Ku L, Cao L, Wei X, et al. Genetic dissection of internode length above the uppermost ear in four RIL populations of maize (*Zea mays* L.).[J]. 2015, 5(2):281-289.
- (6) Guo S, Ku L, Qi J, et al. Genetic analysis and major quantitative trait locus mapping of leaf widths at different positions in multiple populations.[J]. *Plos One*, 2015, 10(3):e0119095. (SCI,并列第一作者)
- (7) Zhang J, Ku L X, Han Z P, et al. The ZmCLA4 gene in the qLA4-1 QTL controls leaf angle in maize (*Zea mays* L.).[J]. *Journal of Experimental Botany*, 2014, 65(17):5063. (SCI,并列第一作者)
- (8) Lixia K, Cui X, Cheng F, et al. Genetic dissection of seed vigour under artificial ageing conditions using two joined maize recombinant inbred line populations[J]. *Plant Breeding*, 2013(6):728-737. (SCI,并列第一作者)
- (9) Yang Q, Li Z, Li W, Ku L, et al. CACTA-like transposable element in ZmCCT attenuated photoperiod sensitivity and accelerated the postdomestication spread of maize[J]. *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, 2013, 110(42):16969-74. (SCI,并列第一作者)
- (10) Ku L, Zhang J, Zhang J C, et al. Genetic dissection of leaf area by jointing two F2 : 3 populations in maize (*Zea Mays* L.).[J]. *Plant Breeding*, 2012, 131(5):591-599. (SCI,并列第一作者)
- (11) Ku L X, Zhang J, Guo S L, et al. Integrated multiple population analysis of leaf architecture traits in maize (*Zea mays* L.).[J]. *Journal of Experimental Botany*, 2012, 63(1):261. (SCI,第一作者)
- (12) Ku L, Wei X, Zhang S, et al. Cloning and characterization of a putative TAC1 ortholog associated with leaf angle in maize (*Zea mays* L.).[J]. *Plos One*, 2011, 6(6):e20621. (SCI,第一作者)
- (13) Ku L X, Sun Z H, Wang C L, et al. QTL mapping and epistasis analysis of brace root traits in maize[J]. *Molecular Breeding*, 2012, 30(2):697-708. (SCI,第一作者)
- (14) Li-Xia K U, Si-Yuan L I, Xiao C, et al. Cloning and Characterization of Putative Hd6 Ortholog Associated with *Zea mays* L. Photoperiod Sensitivity[J]. *Journal of Integrative Agriculture(农业学报(英文))*, 2011, 10(1):18-27. (SCI,第一作者)
- (15) Ku L X, Zhao W M, Zhang J, et al. Quantitative trait loci mapping of leaf angle and leaf orientation value in maize (*Zea mays* L.).[J]. *Theoretical and Applied Genetics*, 2010, 121(5):959-959. (SCI,第一作者)
- (16) Wei X, Ku L, Li S, et al. Effects of night break on accumulation of HD6 mRNA in tropical photoperiod-sensitive maize[J]. *African Journal of Agricultural Research*, 2011, 6(21):4871-4871.
- (17) (18) Han Z, Ku L, Zhang Z, et al. QTLs for Seed Vigor-Related Traits Identified in Maize Seeds Germinated under Artificial Aging Conditions[J]. *Plos One*, 2014, 9(3):e92535.
- (18) 库丽霞, 陈彦惠, 吴连成,等. 玉米秸秆热值性状杂种优势及配合力分析[J]. *作物学报*, 2006, 32(2):228-231.
- (19) 库丽霞, 王付娟, 郭书磊,等. 豫综5号玉米综合种淀粉含量轮回选择效果分析[J]. *中国农业科学*, 2014, 45(8):1636-1643.
- (20) 库丽霞, 孟庆雷, 侯本军,等. 轮回选择对豫综5号玉米群体产量性状配合力的改良效果[J]. *作物学报*, 2012, 38(2):215-222.
- (21) 库丽霞, 孙朝辉, 王翠玲,等. 玉米光周期敏感相关性状发育动态QTL定位[J]. *作物学报*, 2010, 36(4):602-611.
- (22) 张伟强, 库丽霞, 张君,等. 玉米出籽率、籽粒深度和百粒重的QTL分析[J]. *作物学报*, 2013, 39(3):455-463.

2、论著

- (1) 《中国玉米新品种动态》北京：中国农业科学技术出版社，2009 副主编
- (2) 《中国玉米品种及其系谱》上海：上海科学技术出版社，2010，参编
- (3) 《棉花种植新技术》郑州：郑州大学出版社，2011 副主编

3、专利/品种权

- (1) 陈彦惠, 库丽霞, 调控玉米叶夹角的主效QTL的分子标记及其方法与应用, 中国, ZL 2010 1 0154094.X
- (2) 陈彦惠, 库丽霞, 调控玉米叶夹角大小的ZmCLA1基因及其在选育耐密株型玉米的方法与应用, 国, 201410778824.1
- (3) 陈彦惠、库丽霞、吴连成, 豫1122, 中国, CNA015585E
- (4)) 陈彦惠、库丽霞、吴连成, 豫2121, 中国, CNA015586E
- (5) 陈彦惠、库丽霞、吴连成, 豫2122, 中国, CNA015587E
- (6) 陈彦惠、库丽霞、吴连成, 豫单9932, 中国, CNA015588E,
- (6) 陈彦惠、库丽霞、吴连成, 豫单9953, 中国, CNA015590E
- (7) 陈彦惠、库丽霞、吴连成, 豫928, 中国, CNA015584E
- (8) 陈彦惠、库丽霞、吴连成, 豫14111, 中国, CNA016112E

奖励

- 1、陈彦惠, 吴连成, 库丽霞等, 高产高淀粉优质专用玉米新品种豫玉34的选育与推广, 河南省科技进步二等奖, 2008。第三名
- 2、陈彦惠、李玉玲、库丽霞、吴连成、汤继华等, 豫综5号和黄金群玉米种质创制于应用, 国家科技进步二等奖, 2014。第三名
- 3、陈彦惠、库丽霞、吴连成、汤继华等, 豫综5号等群体创制、改良与应用, 河南省科技进步一等奖, 2013, 第二名。
- 4、陈彦惠, 库丽霞, 吴连成。豫单9932, 河南省审定, 2016, 第二名
- 5、陈彦惠, 吴连成, 库丽霞。豫单998, 河南省审定, 2006, 第三名。



版权所有：河南农业大学农学院
地址：河南省郑州市郑东新区龙子湖高校园区15号
邮编：450046
电话/传真：0371-56990188