



## 师资队伍

农学系 ▶

作物育种与种子科学系 ▶

作物生物技术系 ▶

中药材系 ▶

作物学实验教学中心 ▶

国家小麦工程技术研究中心 ▶

## 作物育种与种子科学系

### 矫永庆

作者: admin 发布时间: 2018-03-29 15:50 点击数: 3285

**矫永庆**, 博士, 教授, 博士生导师, 国家自然科学基金优秀青年基金获得者。

**研究领域:** 集中在大豆株型控制和抗逆方向。综合运用正向和反向遗传学手段, 发掘并解析大豆重要农艺性状控制基因; 在此基础上, 进一步利用基因编辑等技术尝试创制大豆新材料, 培育分子改良的大豆新品种。

**E-mail:** jiaoyongqing@henau.edu.cn

#### 教育/工作经历:

2018/07至今, 河南农业大学农学院, 教授, 博士生导师

2013/11-2018/07, 中国农业科学院油料作物研究所, 研究员

2011/02-2013/11, 美国密苏里大学哥伦比亚分校国家大豆生物技术中心, 博士后

2005/09-2010/07, 中国科学院遗传与发育生物学研究所, 博士

2002/09-2005/07, 中国农业科学院作物科学研究所, 硕士

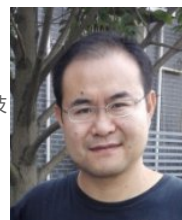
1998/09-2002/07, 山东农业大学农学院, 学士

#### 承担项目与课题:

1. 国家自然科学基金优秀青年基金, 大豆种质资源与遗传育种, 31522042, 150万元, 主持, 2016-2018
2. 国家自然科学基金面上项目, 抗倒伏大豆茎秆解剖结构及化学组分的分析及QTL定位, 31371654, 万元, 主持, 2014-2017
3. 国家转基因重大专项子课题, 营养功能型转基因大豆新品种培育, 250万元, 主持, 2016-2020
4. 国家重点研发计划子课题, 主要农作物抗病虫抗逆性状形成的分子基础, 140万元, 主持, 2016-2020

#### 科研论文与专利 (\*通讯作者):

1. Guo W, Zhang F, Bao A, You Q, Li Z, Chen J, Cheng Y, Zhao W, Shen X, Zhou X, Jiao Y\* (2018) The soybean *Rhg1* amino acid transporter gene alters glutamate homeostasis and jasmonic acid-induced resistance to soybean cyst nematode. **Mol Plant Pathol**. DOI: 10.1111/mpp.12753
2. Li X, Huang L, Lu J, Cheng Y, You Q, Wang L, Song X, Zhou X and Jiao Y\* (2018) Large-Scale Investigation of Soybean Gene Functions by Overexpressing a Full-Length Soybean cDNA Library in Arabidopsis. **Front. Plant Sci**. 9:631.doi: 10.3389/fpls.2018.00631
3. Zhao W, Cheng Y, Zhang C, Shen X, You Q, Guo W, Li X, Song X, Zhou X and Jiao Y\* (2017) Genome-Wide Identification and Characterization of the GmSnRK2 Family in Soybean. **International Journal of Molecular Sciences** doi:10.3390/ijms18091834
4. Zhao W, Cheng Y, Zhang C, You Q, Shen X, Guo W, Jiao Y\* (2017) Genome-wide identification and characterization of circular RNAs by high throughput sequencing in soybean. **Scientific Reports** DOI: 10.1038/s41598-017-05922-9
5. Gao S, Zhao W, Li X, You Q, Shen X, Guo W, Wang S, Shi G, Liu Z\* and Jiao Y\* (2017) Identification and characterization of miRNAs in two closely related C4 and C3 species of



- Cleome by high-throughput sequencing. **Scientific Reports** DOI:10.1038/srep46552
6. Wang X, Lu J, Chen H, Shan Z, Shen X, Duan B, Zhang C, Yang Z, Zhang X, Qiu D, Chen Zhou X\* and **Jiao Y\*** (2017) Comparative analyses of transcriptome and proteome in response to cotton bollworm between a resistant wild soybean and a susceptible soybean cultivar. **Plant Cell Tissue Organ Cult** DOI 10.1007/s11240-017-1196-5
  7. Chen W<sup>1</sup>, **Jiao Y<sup>1</sup>**, Cheng L, Huang L, Liao B, Tang M, Ren X, Zhou X, Chen Y, Jiang H\* (2016) Quantitative trait locus analysis for pod- and kernel-related traits in the cultivated pea (*Arachis hypogaea* L.). **BMC Genet.** 17:25. (共同第一)
  8. **Jiao Y\***, Vuong TD, Liu Y, Meinhardt C, Liu Y, Joshi T, Cregan PB, Xu D, Shannon JG, Nguyen HT\* (2015) Identification and evaluation of quantitative trait loci underlying resistance to multiple HG types of soybean cyst nematode in soybean PI 437655. **Theor Appl Genet.** 12 (1):15-23, (第一和共同通讯)
  9. **Jiao Y\***, Vuong TD, Liu Y, Li Z, Robbins R, Shannon JG and Nguyen HT\* (2015) Identification and characterization of QTL underlying resistance to southern root knot and reniform nematodes in soybean PI 567516C. **Mol Breeding (2015) 35: 131.** <https://doi.org/10.1007/s11032-015-0330-5> ((第一和共同通讯)
  10. Wan J<sup>1</sup>, Vuong TD<sup>1</sup>, **Jiao Y<sup>1</sup>**, Joshi T, Zhang H, Xu D and Nguyen HT\* (2015) Whole-genome gene expressing profiling revealed genes and pathways potentially involved in regulating interactions of soybean with cyst nematode (*Heterodera glycines* Ichinohe). **BMC genomics** 16:148 (共同第一)
  11. Lu Z, Shao G, Xiong J, **Jiao Y**, Wang J, Liu G, Meng X, Liang Y, Xiong G, Wang Y, Li J\*. (2015) MONOCULM 3, an ortholog of WUSCHEL in rice, is required for tiller bud formation. **J Genet Genomics.** 42(2):71-8.
  12. Lu Z, Yu H, Xiong G, Wang J, **Jiao Y**, Liu G, Jing Y, Meng X, Hu X, Qian Q, Fu X, Wang Y\*, J\*. (2013) Genome-wide binding analysis of the transcription activator ideal plant architecture reveals a complex network regulating rice plant architecture. **Plant Cell.** 25(10):3743-59
  13. **Jiao Y<sup>1</sup>**, Wang Y<sup>1</sup>, Xue D<sup>1</sup>, Wang J, Yan M, Liu G, Dong G, Zeng D, Lu Z, Zhu X, Qian Q & J\* (2010) Regulation of OsSPL14 by OsmiR156 defines ideal plant architecture in rice. **Nat Genet.** 42(6):541-4. (第一作者)
  14. Xiong G, Hu X, **Jiao Y**, Yu C, Chu C, Li J, Qian Q\*, Wang Y\* (2006) *LEAFY HEAD2*, which encodes a putative RNA-binding protein, regulates shoot development of rice. **Cell Research** 267-276
  15. 陆捡花, 李祥, 赵为, 沈欣杰, 郭葳, 王笑一, 周新安, 矫永庆 (2017) 大豆 MYB转录因子 GmMYB010与其拟南芥同源基因的功能差异. **中国油料作物学报**, 39(3):281-293
  16. 大豆褐化胞囊线虫胞囊自动计数方法. 2017. 矫永庆, 郭葳, 张凤. 申请号: 201711033842.7
  17. 大豆抗旱相关蛋白在调控大豆抗旱性中的应用. 2017. 矫永庆, 沈欣杰, 王岩岩. 申请号: 201710873361.0
  18. 一种表达载体及其在植物基因功能研究中的应用. . 2017. 矫永庆, 李祥, 郭葳. 申请号: 201710248125.X
  19. 与植物株型相关的蛋白IPA1及其编码基因与应用. 2010. 李家洋, 钱前, 王永红, 矫永庆, 薛大伟, 刘贵富, 王静, 董国军. 专利号: CN201010146613.8

#### 获得奖励:

1. 获得2011年“中国科学院优秀博士论文奖”和“北京市优秀博士论文奖”



版权所有: 河南农业大学农学院  
 地址: 河南省郑州市郑东新区龙子湖高校园区15号  
 邮编: 450046  
 电话/传真: 0371-56990188