



面向世界科技前沿，面向国家重大需求，面向国民经济主战场，率先实现科学技术跨越发展，率先建成国家创新人才高地，率先建成国家高水平科技智库，率先建设国际一流科研机构。

中国科学院办院方针



搜索

首页 > 科研进展

昆明植物所发现决定大理茶独特风味和抗性的基因组学基础

文章来源：昆明植物研究所 发布时间：2015-05-04 【字号：小 中 大】

我要分享

大理茶 (Camellia taliensis) 在分类学上隶属于山茶科 (Theaceae) 山茶属 (Camellia) 之茶组 (Sect. Thea (L.) Dyer)...

在中国科学院“百人计划”、云南省高端人才项目、云南省海外高层次引进计划和国家自然科学基金的联合支持下，中国科学院昆明植物研究所高立志课题组对大理茶转录组学进行了研究...

上述研究结果以De novo transcriptome assembly of the wild relative of tea tree (Camellia taliensis) and comparative analysis with tea transcriptome identified putative genes associated with tea quality and stress response 为题发表在BMC Genomics 上。

文章链接

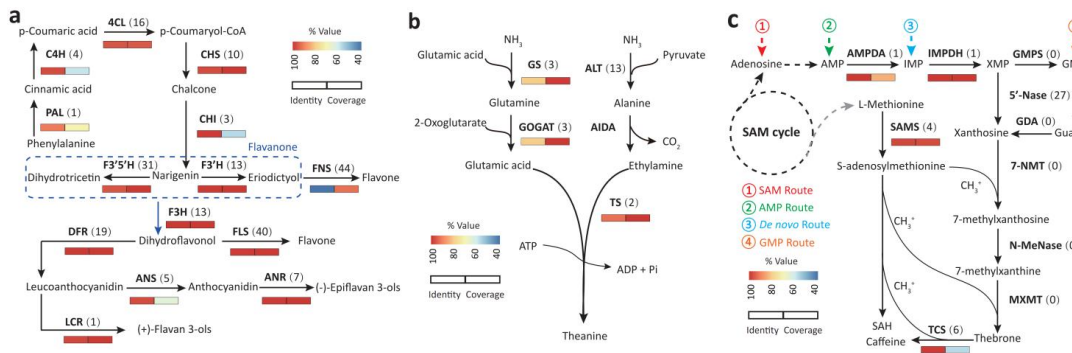


图1：大理茶重要次生代谢产物通路及重要功能基因挖掘与比较分析。a) 类黄酮生物合成途径； b) 茶氨酸生物合成途径； c) 咖啡因生物合成途径。

热点新闻

中科院与北京市推进怀柔综合性...

- 发展中国家科学院第28届院士大会开幕
14位大陆学者当选2019年发展中国家科学...
青藏高原发现人类适应高海拔极端环境最...
中科院举行离退休干部改革创新形势...
中科院与铁路总公司签署战略合作协议

视频推荐



专题推荐



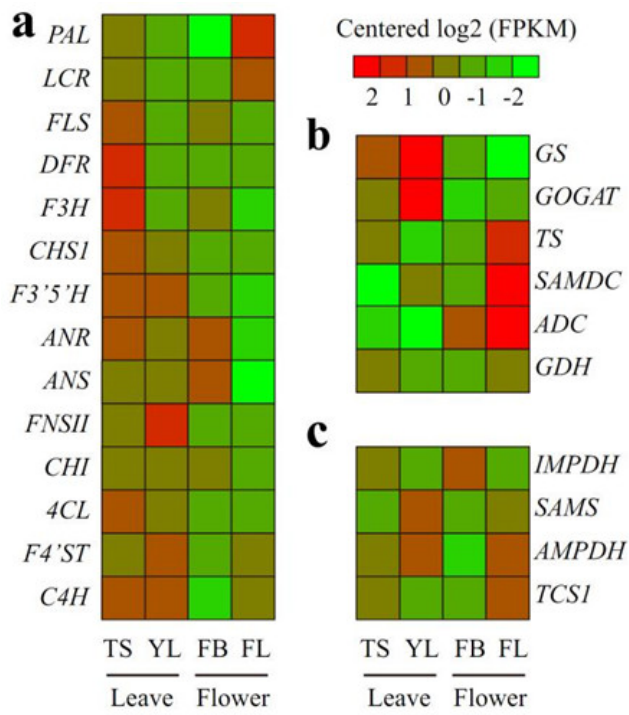


图2: 重要次生代谢通路基因在不同发育阶段表达分析。a) 类黄酮生物合成途径; b) 茶氨酸生物合成途径; c) 咖啡因生物合成途径。(TS:嫩芽, YL: 幼叶, FB: 花苞, FL: 花)

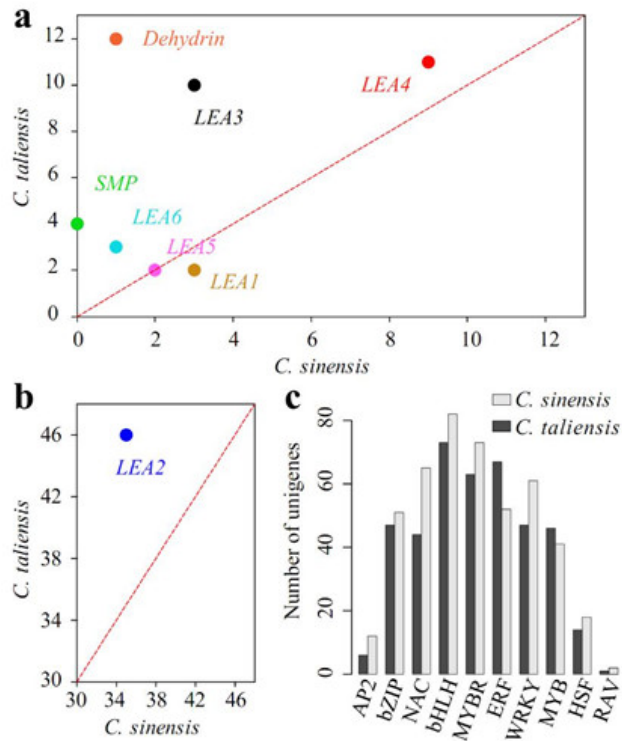


图3: 大理茶与栽培茶树中抗逆相关基因家族的比较分析。a) LEA基因家族; b) 茶树中最大的LEA基因家族; c) 与抗逆相关的转录因子基因家族。

(责任编辑: 叶瑞优)

