

研究论文

基于水稻QTL定位分析预测单穗粒重最优基因型

赵彦宏<sup>1</sup>, 朱军<sup>1,\*</sup>, 杨剑<sup>1</sup>, 徐海明<sup>1</sup>, 高用明<sup>1</sup>, 宋佑胜<sup>1</sup>, 石春海<sup>1</sup>, 邢永忠<sup>2</sup>

1 浙江大学生物信息学研究所, 浙江杭州310029; 2 华中农业大学作物遗传改良国家重点实验室, 湖北武汉430070

收稿日期 2006-12-20 修回日期 网络版发布日期 2007-10-23 接受日期 2007-4-16

**摘要** 选择符合需要的基因型个体是育种实践中的重要环节, 而理想基因型的预测则又是其前提。本文以水稻“珍汕97B×明恢63”的F<sub>1</sub>杂种(汕优63)所衍生的永久F<sub>2</sub>群体为材料, 对单穗粒重进行了QTL定位分析, 并对不同环境下单穗粒重的最优株系(SL)和最优杂种(SH)的基因型及其遗传效应值进行了预测。结果表明

**关键词** [水稻](#) [QTL定位](#) [最优基因型](#) [单穗粒重](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

朱军 [jzhu@zju.edu.cn](mailto:jzhu@zju.edu.cn)

作者个人主页: 赵彦宏<sup>1</sup>; 朱军<sup>1,\*</sup>; 杨剑<sup>1</sup>; 徐海明<sup>1</sup>; 高用明<sup>1</sup>; 宋佑胜<sup>1</sup>; 石春海<sup>1</sup>; 邢永忠<sup>2</sup>

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (1329KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [赵彦宏](#)

• [朱军](#)

•

• [杨剑](#)

• [徐海明](#)

• [高用明](#)

• [宋佑胜](#)

• [石春海](#)

• [邢永忠](#)