

研究论文

基于水稻QTL定位分析预测单穗粒重最优基因型

赵彦宏<sup>1</sup>, 朱军<sup>1,\*</sup>, 杨剑<sup>1</sup>, 徐海明<sup>1</sup>, 高用明<sup>1</sup>, 宋佑胜<sup>1</sup>, 石春海<sup>1</sup>, 邢永忠<sup>2</sup>

1 浙江大学生物信息学研究所, 浙江杭州310029; 2 华中农业大学作物遗传改良国家重点实验室, 湖北武汉430070

收稿日期 2006-12-20 修回日期 网络版发布日期 2007-10-23 接受日期 2007-4-16

**摘要** 选择符合需要的基因型个体是育种实践中的重要环节, 而理想基因型的预测则又是其前提。本文以水稻“珍汕97B×明恢63”的F<sub>1</sub>杂种(汕优63)所衍生的永久F<sub>2</sub>群体为材料, 对单穗粒重进行了QTL定位分析, 并对不同环境下单穗粒重的最优株系(SL)和最优杂种(SH)的基因型及其遗传效应值进行了预测。结果表明

**关键词** [水稻](#) [QTL定位](#) [最优基因型](#) [单穗粒重](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

朱军 [jzhu@zju.edu.cn](mailto:jzhu@zju.edu.cn)

作者个人主页: 赵彦宏<sup>1</sup>; 朱军<sup>1,\*</sup>; 杨剑<sup>1</sup>; 徐海明<sup>1</sup>; 高用明<sup>1</sup>; 宋佑胜<sup>1</sup>; 石春海<sup>1</sup>; 邢永忠<sup>2</sup>

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(1329KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [赵彦宏](#)
- [朱军](#)
- [杨剑](#)
- [徐海明](#)
- [高用明](#)
- [宋佑胜](#)
- [石春海](#)
- [邢永忠](#)