

无栏目

西北半干旱地区黄芪根瘤菌DNA同源性及16S rDNA全序列分析

韦革宏,陈文新,朱铭莪

西北农林科技大学资源与环境学院

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 数值分类表明,分离自西北半干旱地区的 9株黄芪根瘤菌构成一个独立的表观群。在此基础上,进行了DNA同源性及 16 S r DNA全序列分析。 9株菌的 G +C mol%在 5 9.1~ 6 0.3之间;群内 DNA同源性的为 81.5 %~91.0 %,大于 70 %;中心菌株 SH2 90 B与各已知种模式菌株 DNA同源性的在 10.5 %~ 6 3.0 %,小于 70 %。 SH2 90 B的16 S r DNA全序列与参比菌株的序列进行比较,得到系统发育树状图。其处在土壤杆菌 -山羊豆根瘤菌构成的分支中,与 R.galegae和 R.huatlense的 16 S r DNA全序列相似性分别为 96.8%和 97.5 %,大于 95 %以上,它们应归属于同一个属。因此,菌株 SH2 90 B代表一个新的根瘤菌种

关键词 [黄芪根瘤菌](#) [DNA同源性](#) [16SrDNA全序列](#) [系统发育](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 韦革宏;陈文新;朱铭莪

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(264KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“黄芪根瘤菌”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [韦革宏](#)

· [陈文新](#)

· [朱铭莪](#)