

作物遗传育种·种质资源·分子遗传学

苦荞种质资源AFLP标记遗传多样性分析

侯雅君,张宗文,吴斌,李艳琴

(山西大学生物技术研究所/教育部化学生物学与分子工程重点实验室)

收稿日期 2009-5-13 修回日期 2009-8-17 网络版发布日期 2009-12-10 接受日期 2009-12-6

摘要

**【目的】**从分子水平研究苦荞种质资源的遗传多样性,为综合评价苦荞种质资源提供依据。**【方法】**用筛选出的20对AFLP引物,对14个不同地理来源的165份苦荞种质进行遗传多样性分析。**【结果】**共扩增出938条清晰的条带,其中314(33.48%)条呈多态性,平均每对引物组合的条带数和多态性带数分别为46.9个和15.7个。不同地理来源苦荞种质的Shannon-Weaver多样性指数为0.1093~0.2661,四川资源群最高,青海、云南和甘肃/宁夏等资源群次之,湖南资源群最低。利用Popgen Ver.1.32软件,依不同地理来源苦荞资源群间Nei's遗传一致度可聚类成5个组,聚类结果与苦荞地理分布相关。基于Structure 2.2软件分析,165份苦荞资源分为5大组群,并与Popgen Ver.1.32聚类结果呼应得较好,其中云南和四川资源的群体结构最复杂,最为多样化,分别被聚到了5个组群中。**【结论】**苦荞类群的亲缘关系以及遗传多样性与其地理分布有一定相关性。

关键词 [苦荞](#) [AFLP](#) [种质资源](#) [遗传多样性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

张宗文,李艳琴 [zongwenz@163.com](mailto:zongwenz@163.com), [yanqin@sxu.edu.cn](mailto:yanqin@sxu.edu.cn)

作者个人主页:

侯雅君;张宗文;吴斌;李艳琴

#### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(501KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“苦荞”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [侯雅君,张宗文,吴斌,李艳琴](#)