

无栏目

烟草黑胫病发生动态与黑胫病菌全基因组(DNA)遗传分化关系的研究

张修国,罗文富,苏宁,郭涿,张猛,吴德喜,张广民

山东农业大学植物保护系

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 为了检测烟草黑胫病发生动态与寄生疫霉 (*Phytophthora parasitica* var. *nicotianae*) 全基因组(DNA)遗传分化的关系,从 120 个 RAPD(Random Amplified Polymorphic DNAs)随机引物中筛选出启动性强的 14 个引物,借助于 PCR 技术对不同年份同一烟草品种上分离获得的 30 个菌株(10 个/年)和 5 个不同烟草品种上分离获得的 15 个菌株(3 个/品种)进行全基因组 DNA 扩增片段指纹图谱及其遗传分化分析。利用 UPGMA(Unweighted Pair-group Method with Arithmetic Average)软件对受试两组菌株的遗传分化构建遗传进化树,结果表明大多数不同年份烟草黑胫病菌株的遗传分化与黑胫病发生危害程度成正相关,不同烟草品种上的黑胫病菌株遗传分化与其寄主品种无相关性

关键词 [烟草黑胫病菌](#) [DNA 指纹图谱](#) [遗传聚类组](#) [病情发生动态](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 张修国; 罗文富; 苏宁; 郭涿; 张猛; 吴德喜; 张广民

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (308KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“烟草黑胫病菌”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [张修国](#)

· [罗文富](#)

· [苏宁](#)

· [郭涿](#)

· [张猛](#)

· [吴德喜](#)

· [张广民](#)