

无栏目

云南稻种抗病基因同源序列类似性分析

孙雁,王云月,何月秋,范静华,陈建斌,朱有勇

云南农业大学

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用已知植物抗病基因和蛋白激酶序列中的保守区域设计的 3对引物对 137个水稻品种DNA进行PCR扩增及聚丙烯酰胺凝胶电泳分析。结果表明,水稻抗病基因同源序列类型丰富,以带型差异类似性 96 %为标准,这些品种可划分出籼粳差异较为明显的 3个类群;以带型差异类似性 60 %为标准,这些品种可划分为 20个类群。这些依分子标记划分的类群与品种的亲缘关系和抗瘟性基本一致。

关键词 [水稻](#) [抗病基因同源序列](#) [抗瘟性](#) [云南](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 孙雁;王云月;何月秋;范静华;陈建斌;朱有勇

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (532KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [孙雁](#)
 - [王云月](#)
 - [何月秋](#)
 - [范静华](#)
 - [陈建斌](#)
 - [朱有勇](#)