

作物遗传育种·种质资源·分子遗传学

甘蓝型油菜一个代表性核心种质的遴选

任丽平, 倪西源, 黄吉祥, 雷伟侠, 曹明富, 赵坚义

杭州师范大学生命与环境科学学院

收稿日期 2007-9-20 修回日期 网络版发布日期 2008-11-10 接受日期 2008-12-1

摘要 【目的】分析甘蓝型油菜的遗传多样性, 遴选核心种质。【方法】将来自欧洲、亚洲、加拿大、澳大利亚和中国几个不同地区的甘蓝型油菜500余份, 按照其品质特点、地理位置、生长习性分组并按比例取样, 建立由87个品种组成的预选核心种质。采用EST-STS标记和SSR标记对其进行分析, 剔除遗传冗余, 选出代表该500余份资源的核心种质并进行分子标记多样性评价和表型特征分析。【结果】在相同的选择背景下, EST-STS和SSR标记的多态性检出率相仿(39%~40%), 每对EST引物与SSR引物产生的多态性条带相近。聚类分析在遗传相似系数0.65处把87个品种分成中国和国外油菜两个类群, 进一步在约0.70处类群I和类群II又分别产生中国“双低”、中国“双高”以及欧洲冬油菜和欧洲春油菜各两个亚组。根据遗传多样性分析, 剔除遗传相似系数大于或等于0.85的遗传冗余, 获得78个品种的核心种质。【结论】EST-STS是一种经济、有效具有功能信息的分子标记, 功效与普通SSR标记相仿; 遗传多样性和聚类分析结果为甘蓝型油菜4个组的划分提供了依据; 78个品种组成的核心种质保留了预选核心种质的遗传多样性和结构, 可作为本研究中500余份品种资源的核心种质加以利用和保存。

关键词 [甘蓝型油菜](#) [EST标记](#) [遗传多样性](#) [核心种质](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

赵坚义 jianyi32000@yahoo.com.cn

作者个人主页:

任丽平;倪西源;黄吉祥;雷伟侠;曹明富;赵坚义

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(557KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“甘蓝型油菜”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [任丽平, 倪西源, 黄吉祥, 雷伟侠, 曹明富, 赵坚义](#)