

论文

## 利用揉面特性鉴定小麦1BL/1RS易位系

刘建军<sup>1</sup>,肖永贵<sup>2</sup>,程敦公<sup>1</sup>,李豪圣<sup>1</sup>,刘丽<sup>2</sup>,宋健民<sup>1</sup>,刘爱峰<sup>1</sup>,赵振东<sup>1</sup>,何中虎<sup>2,3\*</sup>

1 山东省农业科学院作物研究所, 山东济南25100; 2 中国农业科学院作物科学研究所/国家小麦改良中心/国家农作物基因资源与基因改良重大科学工程, 北京100081; 3 CIMMYT中国办事处, 北京100081

摘要:

1BL/1RS易位系曾广泛用于小麦农艺性状改良, 但对加工品质有明显的负面影响。利用404份 $F_5$ 至 $F_8$ 高代品系(试验I)和175份山东省主栽品种及高代品系(试验II), 研究1BL/1RS易位对小麦揉面参数的影响, 分析不同高低分子量蛋白亚基(HWM/LWM-GS)背景下1BL/1RS的揉面特性, 探讨利用揉面特性鉴定1BL/1RS易位系的方法。结果表明, 1BL/1RS易位系的揉面时间、峰值带宽及峰后1 min带宽显著低于非1BL/1RS易位系, 而衰落角和带宽比(峰值带宽/峰后1 min带宽)显著高于非1BL/1RS易位系, 说明1BL/1RS易位导致小麦的揉面特性显著变劣。易位系的揉面谱带的主要特征为峰后1 min谱带急剧衰落并变窄, 带宽比显著增大, 而非1BL/1RS易位系的峰后谱带衰落、变窄平缓或者稳定时间较长, 带宽比较小。带宽比1.6可作为判断易位系的有效指标, 即大于或等于1.6为1BL/1RS易位系, 小于1.6为非1BL/1RS易位系, 准确率达85.2%(试验I)和96.8%(试验II)。尽管优质HWM-GS背景对*Glu-B3j*(1BL/1RS易位系)的揉面特性有一定正向补偿作用, 但品质特性仍显著劣于其他*Glu-B3*位点, 带宽比表现尤为突出。因此, 揉面特性不仅能测定育种材料的面团流变学特性, 而且还能有效鉴别1BL/1RS易位系。

关键词: 普通小麦 1BL/1RS易位 揉面特性

## Identification of 1BL/1RS Translocation Based on Mixograph Parameters in Common Wheat

1 Crop Research Institute, Shandong Academy of Agricultural Sciences, Jinan 250100, China;  
 2 Institute of Crop Sciences/National Wheat Improvement Centre/National Key Facility for Crop Gene Resources and Genetic Improvement, Chinese Academy of Agricultural Sciences, Beijing 100081, China; 3 CIMMYT China Office, Beijing 100081, CHina

1 Crop Research Institute, Shandong Academy of Agricultural Sciences, Jinan 250100, China; 2 Institute of Crop Sciences/National Wheat Improvement Centre/National Key Facility for Crop Gene Resources and Genetic Improvement, Chinese Academy of Agricultural Sciences, Beijing 100081, China; 3 CIMMYT China Office, Beijing 100081, CHina

Abstract:

1BL/1RS translocation has been widely used for improving agronomic performance and disease resistance in wheat (*Triticum aestivum* L.), however, it has strong negative effect on processing quality. To develop a method for 1BL/1RS translocation identification with mixograph parameters, 404 advanced lines from 146 crosses in 2005–2006 (Experiment I) and 175 advanced lines and main cultivars of Shandong Province (Experiment II) in 2005–2006 and 2006–2007 cropping seasons were used in this study. All materials were sown under irrigation condition in a randomized complete design with 1 replication in Jinan. The genetic effect of 1BL/1RS translocation on mixograph parameters was investigated. The variations of mixograph parameters under different combinations of the high molecular weight glutenin subunits (HMW-GS) and low molecular weight glutenin subunits (LMW-GS) were also analyzed. 1BL/1RS translocation lines showed significantly shorter mixing time, less bandwidth of peak and bandwidth after 1 min peak, and higher angle of descent and the bandwidth ratio (the ratio of bandwidth of peak/bandwidth after 1 min peak) in comparison with non-1BL/1RS translocation lines. It indicated that the 1BL/1RS translocation has deleterious effects on mixograph parameters. Mixograph of the 1BL/1RS translocation was characterized with the bandwidth sharply declining and narrowing after 1 min peak, and increasing the bandwidth ratio, whereas the bandwidth of non-1BL/1RS translocations declined gently after 1 min peak or had a longer mixing tolerance, and had a little variation about the bandwidth ratio. Furthermore, 85.2% (Experiment I) and 96.8% (Experiment II) accuracies were achieved in grouping the 1BL/1RS translocation and non-1BL/1RS translocation on the basis of the band width ratio, i.e., 1BL/1RS translocation line had a value more than or equal to 1.6, and non-1BL/1RS translocation line

扩展功能
本文信息
<a href="#">▶ Supporting info</a> <a href="#">▶ PDF(395KB)</a> <a href="#">▶ [HTML全文]</a> <a href="#">▶ 参考文献</a>
服务与反馈
<a href="#">▶ 把本文推荐给朋友</a> <a href="#">▶ 加入我的书架</a> <a href="#">▶ 加入引用管理器</a> <a href="#">▶ 引用本文</a> <a href="#">▶ Email Alert</a> <a href="#">▶ 文章反馈</a> <a href="#">▶ 浏览反馈信息</a>
本文关键词相关文章
<a href="#">▶ 普通小麦</a> <a href="#">▶ 1BL/1RS易位</a> <a href="#">▶ 揉面特性</a>
本文作者相关文章
PubMed

had a value smaller than 1.6. Although the *Glu-B3* alleles showed better quality parameters when HMW-GS 5+10 was presented, it was still the most unfavorable allele on mixograph parameters among all *Glu-B3* alleles. Therefore, mixograph parameters could be used to determine the rheological properties and the presence of 1BL/1RS translocation.

Keywords: Common wheat(*Triticum aestivum* L.) 1BL/1RS translocation Mixogram characteristics

收稿日期 2008-01-11 修回日期 2008-05-29 网络版发布日期 2008-11-17

DOI: 10.3724/SP.J.1006.2009.00079

基金项目:

通讯作者: 何中虎

作者简介:

#### 参考文献:

- [1]Ehdaie B, Whitkus R W, Waines J G. Root biomass, water-use efficiency, and performance of wheat-rye translocations of chromosomes 1 and 2 in spring bread wheat 'Pavon'. *Crop Sci*, 2003, 43: 710–717
- [2]Rabinovich S V. Importance of wheat-rye translocation for breeding modern cultivars of *Triticum aestivum* L. *Euphytica*, 1998, 100: 323–340 [3]Zhou Y(周阳), He Z-H(何中虎), Zhang G-S(张改生), Xia L-Q(夏兰琴), Chen X-M(陈新民), Gao Y-C(高永超), Jing Z-B(井赵斌), Yu G-J(于广军). Utilization of 1BL/1RS translocation in wheat breeding in China. *Acta Agron Sin* (作物学报), 2004, 30(6): 531–535(in Chinese with English abstract) [4]Liu L(刘丽), Yan J(阎俊), Zhang Y(张艳), He Z-H(何中虎), Pe?a R J, Zhang L-P(张立平). Allelic variation at the *Glu-1* and *Glu-3* loci and presence of 1B/1R translocation, and their effects on processing quality in cultivars and advanced lines from autumn-sown wheat regions in China. *Sci Agric Sin* (中国农业科学), 2005, 38(10): 1944–1950(in Chinese with English abstract) [5]Wieser H, Kieffer R, Lelley T. The influence of 1B/1R chromosome translocation on gluten protein composition and technological properties of bread wheat. *J Sci Food Agric*, 2000, 80: 1640–1647 [6]Liu J-J (刘建军), He Z-H(何中虎), Pe?a R J, Zhao Z-D(赵振东). The effects of 1B/1R translocation on grain quality and noodle quality of bread wheat. *Acta Agron Sin* (作物学报), 2004, 30(2): 149–153(in Chinese with English abstract) [7]Burnett C J, Lorenz K J, Carver B F. Effects of the 1B/1R translocation in wheat on composition and properties of grain and flour. *Euphytica*, 1995, 86: 159–166 [8]Moreno-Sevilla B, Baenziger P S, Shelton D R, Graybosch R A, Peterson C J. Agronomic performance and end-use quality of 1B vs 1B/1R genotypes derived from the winter wheat "Rawhide". *Crop Sci*, 1995, 35: 1607–1612 [9]Martin P, Carrillo J M. Cumulative and interaction effects of prolamin allelic variation and of 1BL/1RS translocation on flour quality in bread wheat. *Euphytica*, 1999, 108: 29–39 [10]Branlard G, Felix I. Part of the HMW glutenin subunits and omega gliadin allelic variants in the explanation of the quality parameters. In: Martino al Cimino S eds. *Proceedings of International Meeting—Wheat Kernel Proteins: Molecular and Functional Aspects*, Viterbo, Italy, 1994. pp 249–251 [11]Gianibelli M C, Larroque O R, MacRichie F, Wrigley C W. Biochemical, genetic, and molecular characterization of wheat glutenin and its component subunits. *Cereal Chem*, 2001, 78: 635–646 [12]Bietz J A, Wall J S. Isolation and characterization of gliadin-like subunits from glutenin. *Cereal Chem*, 1973, 50: 537–547 [13]Gupta R B, MacRitchie F. Allelic variation at glutenin subunit and gliadin loci, *Glu-1*, *Glu-3* and *Gli-1* of common wheats: II. Biochemical basis of the allelic effects on dough properties. *J Cereal Sci*, 1994, 19: 19–29 [14]Branlard G, Dardevet M, Saccomano R, Lagoutte F, Gourdon J. Genetic diversity of wheat storage proteins and bread wheat quality. *Euphytica*, 2001, 119: 59–67 [15]He Z H, Liu L, Xia X C, Liu J J, Pe?a R J. Composition of HMW and LMW glutenin subunits and their effects on dough properties, pan bread, and noodle quality of Chinese bread wheats. *Cereal Chem*, 2005, 82: 345–350 [16]Kolster P, Krechting C F, van Gelder W M J. Quantification of individual high molecular weight subunits of wheat glutenin SDS-PAGE and scanning densitometry. *J Cereal Sci*, 1992, 15: 49–61 [17]Wang F-C(王凤成), Zhang W(张玮), Chen W-Y(陈万义). Mixograph and its application in the determination of wheat flour quality. *Cereal & Feed Ind*, 2004, 12: 10–12 [18]Lagudah E S, Appels R, McNeil D. The Nor-D3 locus of *Triticum tauschii*: natural variation and genetic linkage to markers in chromosome 5. *Genome*, 1991, 34: 387–395 [19]Francis H A, Leitch A R, Koebner R M D. Conversion of a RAPD-generated PCR product, containing a

novel dispersed repetitive element, into a fast and robust assay for the presence of rye chromatin in wheat. *Theor Appl Genet*, 1995, 90: 636–642 [20]Xiao Y-G(肖永贵), Yan J(阎俊), He Z-H(何中虎), Zhang Y(张勇), Zhang X-K(张晓科), Liu L(刘丽), Li T-F(李天富), Qü Y-Y(曲延英), Xia X-C(夏先春). Effect of 1BL/1RS translocation on yield traits and powdery mildew resistance in common wheat and QTL analysis. *Acta Agron Sin (作物学报)*, 2006, 32(11): 1636–1641(in Chinese with English abstract) [21]Liu L(刘丽), Zhou Y(周阳), He Z-H(何中虎), Yan J(阎俊), Zhang Y(张艳), Peña R J. Effect of allelic variation at Glu-1 and Glu-3 loci on processing quality in common wheat. *Acta Agron Sin (作物学报)*, 2004, 30(11): 959–968(in Chinese with English abstract) [22]Graybosch R A. Uneasy Unions: Quality effects of rye chromatin transfer to wheat. *J Cereal Sci*, 2001, 33: 3–16 [23]Fenn D, Lukow O M, Bushuk W, DePauw R M. Milling and baking quality of 1BL/1RS translocation wheat: I. Effects of genotype and environment. *Cereal Chem*, 1994, 71: 189–195 [24]Zarco-Hernandez J A, Santiveri F, Michelena A, Peña R J. Durum wheat (*Triticum turgidum* L.) carrying the 1BL/1RS chromosomal translocation: agronomic performance and quality characteristics under Mediterranean conditions. *Eur J Agron*, 2005, 22: 33–43 [25]Finney K F, Shogren M D. A ten-gram mixograph for determining and predicting functional properties of wheat flours. *Baker's Digest*, 1972, 46: 32–77 [26]Randall P G, Manley M, McGill A E, Taylor J R N. Relationship between high Mr subunits of glutenin of South African wheats and end-use quality. *J Cereal Sci*, 1993, 18: 251–258 [27]Lee J H, Graybosch R A, Peterson C J. Quality and biochemical effects of a 1BL/1RS wheat-rye translocation in wheat. *Theor Appl Genet*, 1995, 90: 105–112 [28]Peña R J, Amaya A, Rajaram S, Mujeep-Kazi A. Variation in quality of characteristics associated with some spring 1B/1R translocation wheats. *J Cereal Sci*, 1990, 12: 105–112

#### 本刊中的类似文章

1. 杨文雄;杨芳萍;梁丹;何中虎;尚勋武;夏先春.中国小麦育成品种和农家种中慢锈基因 $Lr34/Yr18$ 的分子检测[J]. *作物学报*, 2008, 34(07): 1109-1113
2. 雷振生;刘丽;王美芳;阎俊;杨攀;张艳;何中虎.HMW-GS和LMW-GS组成对小麦加工品质的影响[J]. *作物学报*, 2009, 35(2): 203-210
3. 张继益;董玉琛;蒋观敏.普通小麦×东方旱麦草属间杂种长期保存技术及稳定性研究[J]. *作物学报*, 2000, 26(01): 14-19
4. 李浩;张平平;查向东;夏先春;何中虎.优质面包小麦品种济南17和豫麦34灌浆期高温胁迫差异表达基因的分离[J]. *作物学报*, 2007, 33(10): 1644-1653
5. 杨燕;赵献林;张勇;陈新民;何中虎;于卓;夏兰琴.四个小麦抗穗发芽分子抗性标记有效性的验证与评价[J]. *作物学报*, 2008, 34(01): 17-24
6. 李常保;刘艳华;杜长青;孔令让.普通小麦与粗山羊草正反交育性机理的胚胎学研究[J]. *作物学报*, 2002, 28(02): 170-174
7. 范玉顶;李斯深;孙海艳;李瑞军.HMW-GS与北方手工馒头加工品质关系的研究[J]. *作物学报*, 2005, 31(01): 97-101
8. 陈华锋;钱保俐;庄丽芳;陈全战;冯祎高;裴自友;亓增军;陈佩度;刘大钧.普通小麦中国春-百萨偃麦草异染色体系的分子标记分析[J]. *作物学报*, 2007, 33(08): 1232-1239
9. 李元清;吴晓华;崔国惠;张勇;张艳;于美玲;王小兵;何中虎;马文星.基因型、地点及其互作对内蒙古小麦主要品质性状的影响[J]. *作物学报*, 2008, 34(01): 47-53
10. 张晓科;夏先春;王忠伟;万映秀;张平治;何心尧;杨燕;何中虎.小麦品质性状分子标记多重PCR体系的建立[J]. *作物学报*, 2007, 33(10): 1703-1710
11. 李根英;夏先春;何中虎;孙其信;黄承彦.山东小麦籽粒硬度演变规律研究[J]. *作物学报*, 2007, 33(08): 1372-1374
12. 刘素兰;王长有;王秋英;吉万全.小麦新种质N9628-2抗白粉病基因的SSR分析[J]. *作物学报*, 2008, 34(01): 84-88
13. 周阳;何中虎;张改生;夏兰琴;陈新民;张立平;陈锋.用微卫星标记鉴定中国小麦品种中Rht8矮秆基因的分布[J]. *作物学报*, 2003, 29(06): 810-814
14. 时津霞;乔永利;杨庆文;何蓓如;吉万全;翁跃进.野生二粒小麦(*Triticum dicoccoides*)与普通小麦(*T. aestivum*)A、B染色体组的同源性分析[J]. *作物学报*, 2005, 31(06): 723-729
15. 赵惠贤;郭蔼光;胡胜武;范三红;张大鹏;任思霖.小麦Glu-D3和Glu-B3位点LMW-GS基因特异引物设计与PCR扩增[J]. *作物学报*, 2004, 30(02): 126-130
16. 刘丽;周阳;何中虎;阎俊;张艳;Peña R J;于亚雄.Glu-1和Glu-3等位变异对小麦加工品质的影响[J]. *作物学报*, 2004, 30(10): 959-968
17. 陈锋;何中虎;崔党群.利用近红外透射光谱技术测定小麦籽粒硬度的研究[J]. *作物学报*, 2004, 30(05): 455-459
18. 张勇;何中虎;张爱民.应用GGE双标图分析我国春小麦的淀粉峰值粘度[J]. *作物学报*, 2003, 29(02): 245-251
19. 葛秀秀;张立平;何中虎;章元明.冬小麦PPO活性的主基因+多基因混合遗传分析[J]. *作物学报*, 2004, 30(01): 18-20
20. 葛秀秀;何中虎;杨金;张岐军.我国冬小麦品种多酚氧化酶活性的遗传变异及其与品质性状的相关分析[J]. *作物学报*, 2003, 29(04): 481-485
21. 陈锋;Nagamine T;张艳;何中虎;王德森;Hisashi Yoshida.中国冬播小麦面粉颗粒度分布及近红外透射光谱测试技术研究[J]. *作物学报*, 2005, 31(03): 302-307
22. 陈东升;刘丽;董建力;何中虎;张艳;刘建军;王德森.HMW-GS和LMW-GS组成及1BL/1RS易位对春小麦品质性状的影响[J]. *作物学报*, 2005, 31(04): 414-419

23. 孙辉; 刘志勇; 李保云; 刘广田. 利用PCR技术鉴别普通小麦Glu-1位点的某些等位基因[J]. 作物学报, 2002, 28(06): 734-737
24. 徐兆华; 张艳; 夏兰芹; 夏先春; 何中虎. 中国冬播小麦品种淀粉特性的遗传变异分析[J]. 作物学报, 2005, 31(05): 587-591
25. 高建伟; 孙其信; 孙振山. 小麦与无融合生殖披碱草(*Elymus rectisetus*)属间杂种F1的形态学和细胞遗传学研究[J]. 作物学报, 2000, 26(03): 271-277
26. 王子宁; 郭北海; 李洪杰; 张艳敏; 温之雨; 李辉. 小麦(*T. aestivum*)Waxy-D1 基因缺失材料的发现及分析[J]. 作物学报, 2000, 26(03): 257-260
27. 王新望; 赖菁茹; 刘广田. 农艺性状优良冬小麦ph1b系的创造及标记辅助选择的应用[J]. 作物学报, 2000, 26(03): 327-332
28. 陶文静; 刘金元; 王秀娥; 刘大钧; 陈佩度. 用RFLP鉴定普通小麦—纤毛鹅观草二体附加系中外源染色体的同源转化性[J]. 作物学报, 1999, 25(06): 657-661
29. 马瑞; 郑殿升; 樊路. 普通小麦品种中Ph基因突变体自然存在的可能性研究[J]. 作物学报, 1999, 25(01): 99-104
30. 张岐军; 张艳; 何中虎; R J Peña. 软质小麦品质性状与酥性饼干品质参数的关系研究[J]. 作物学报, 2005, 31(09): 1125-1131
31. 常胜合; 舒海燕; 童依平; 李滨; 李振声. 3个类核糖核酸基因在磷饥饿条件下的表达[J]. 作物学报, 2005, 31(09): 1115-1119
32. 陈锋; 何中虎; Morten Lillemo; 夏先春. CIMMYT普通小麦籽粒硬度等位变异的检测[J]. 作物学报, 2005, 31(10): 1277-1283
33. 樊路; 韩敬花; 邓景扬; 潘淑婷. phlb基因在中国春Tal kr phlb基因综合体与Agropyron intermedium杂交中的作用[J]. 作物学报, 1993, 19(06): 558-561
34. 钱森和; 张艳; 王德森; 何中虎; 张岐军; 姚大年. 小麦品种戊聚糖和溶剂保持力遗传变异及其与品质性状关系的研究[J]. 作物学报, 2005, 31(07): 902-907
35. 刘丽; 周阳; 何中虎; Peña R J; 张立平. Glu-1和Glu-3等位变异对不溶性谷蛋白含量的影响[J]. 作物学报, 2004, 30(11): 1086-1092
36. 张立平; 葛秀秀; 何中虎; 王德森; 闫俊; 夏先春; Mark W Sutherland. 普通小麦多酚氧化酶活性的QTL分析[J]. 作物学报, 2005, 31(01): 7-10
37. 薛利红; 曹卫星; 张宪; 朱艳. 利用冠层反射光谱预测小麦籽粒品质指标的研究[J]. 作物学报, 2004, 30(10): 1036-1041
38. 刘建军; 何中虎; R J Pena; 赵振东. 1BL/1RS易位对小麦加工品质的影响[J]. 作物学报, 2004, 30(02): 149-153
39. 陈新民; 何中虎; 史建荣; 夏兰芹; Rick Ward; 周阳; 蒋国梁. 利用SSR标记进行优质冬小麦品种(系)的遗传多样性研究[J]. 作物学报, 2003, 29(01): 13-19
40. 杨金; 张艳; 何中虎; 阎俊; 王德森; 刘建军; 王美芳. 小麦品质性状与面包和面条品质关系分析[J]. 作物学报, 2004, 30(08): 739-744
41. 宋建民; 刘建军; 刘爱峰; 吴祥云; 李豪圣; 赵振东. 高分子量麦谷蛋白亚基组成与小麦烘烤品质关系研究[J]. 作物学报, 2004, 30(11): 1124-1128
42. 马有志; 富田因则; 曹丽霞; 李连城; 安室喜正. 来自中间偃麦草基因组的类反转录转座子片段的克隆及其特征分析[J]. 作物学报, 2004, 30(04): 209-303
43. 胡新中; 张国权; 张正茂; 欧阳韶晖; 郑建梅; 郭波莉; 周丽. 小麦面粉、面条色泽与蛋白质组分的关系[J]. 作物学报, 2005, 31(04): 515-518
44. 钟少斌; 姚景侠. 1B/1R易位系——“84059-4-2”的细胞学鉴定[J]. 作物学报, 1991, 17(05): 321-325
45. 李爱霞; 亢增军; 裴自友; 庄丽芳; 冯祎高; 王秀娥. 普通小麦辉县红-荆州黑麦异染色体系的选育及其梭条花叶病抗性鉴定[J]. 作物学报, 2007, 33(04): 639-645
46. 陈全战; 王官锋; 陈华锋; 陈佩度. 普通小麦-簇毛麦易位系T4VS-4VL-4AL的选育与鉴定[J]. 作物学报, 2007, 33(06): 871-877
47. 张平平; 张岐军; 刘丽; 夏先春; 何中虎. Glu-B1位点亚基色谱鉴定及 $7^{\circ}\text{E}$ 对面团强度的影响[J]. 作物学报, 2007, 33(10): 1575-1581
48. 张勇; 何中虎; 吴振录; 张爱民; Maarten van Ginkel. CIMMYT和中国硬质春麦在4种CIMMYT不同处理环境中产量和蛋白品质性状分析[J]. 作物学报, 2007, 33(07): 1182-1186
49. 王长有; 吉万全; 张改生; 王秋英; 薛秀庄. 普通小麦与*Elymus rectisetus*异附加系的分子细胞遗传学鉴定[J]. 作物学报, 2006, 32(12): 1898-1901
50. 穆培源; 何中虎; 徐兆华; 王德森; 张艳; 夏先春. CIMMYT普通小麦品系Waxy蛋白类型及淀粉糊化特性研究[J]. 作物学报, 2006, 32(07): 1071-1075
51. 王爱萍; 毛新国; 景蕊莲; 昌小平; 杨武德. *TaMyb2-II*基因在普通小麦(*Triticum aestivum* L.)及其近缘种中的单核苷酸多态性分析[J]. 作物学报, 2006, 32(12): 1809-1816
52. 钟冠昌; 张荣琦. 长穗偃麦草—普通小麦核质杂种的创制及其细胞遗传学分析[J]. 作物学报, 1989, 15(03): 230-236
53. 陈东升; 张艳; 何中虎; 王德森; Peña R J. 不同加水量对北方馒头加工品质影响的研究[J]. 作物学报, 2005, 31(06): 730-735
54. 刘文轩; 陈佩度; 刘大钧. 一个普通小麦-大赖草易位系T01的选育与鉴定[J]. 作物学报, 2000, 26(03): 305-309
55. 孙兰珍; 姚方印; 李传友; 李利斌; 刘保申; 高庆荣. 小麦T、K、V型胞质不育系和杂种mtDNA的RAPD分析及育性相关片段的克隆[J]. 作物学报, 2001, 27(02): 144-148
56. 张晓科; 夏先春; 何中虎; 周阳. 用STS标记检测春化基因Vrn-A1在中国小麦中的分布[J]. 作物学报, 2006, 32

- (07): 1038-1043
57. 张立平; 阎俊; 夏先春; 何中虎; Mark W Sutherland. 普通小麦籽粒黄色素含量的QTL分析[J]. 作物学报, 2006, 32(01): 41-45
58. 周阳; 何中虎; 陈新民; 王德森; 张勇; 张改生. 30余年来北部冬麦区小麦品种产量改良遗传进展[J]. 作物学报, 2007, 33(09): 1530-1535
59. 肖永贵; 阎俊; 何中虎; 张勇; 张晓科; 刘丽; 李天富; 曲延英; 夏先春. 1BL/1RS易位对小麦产量性状和白粉病抗性的影响及其QTL分析[J]. 作物学报, 2006, 32(11): 1636-1641
60. 别同德; 汪乐; 何华纲; 亓增军; 冯祎高; 陈全战; 李海凤; 陈佩度. 一个花粉辐射诱导的小麦-簇毛麦相互易位染色体系的分子细胞遗传学研究[J]. 作物学报, 2007, 33(09): 1432-1438
61. 陈锋; 陈东升; 钱森和; 张艳; 夏先春; 何中虎. Puroindoline基因对春小麦磨粉及馒头、面条品质的影响[J]. 作物学报, 2006, 32(07): 980-986
62. 张勇; 张立平; 阎俊; 张艳; 王德森; 刘建军; 何中虎. 普通小麦面筋强度早代选择研究[J]. 作物学报, 2006, 32(11): 1663-1670
63. 王瑞; 张改生; F J Zeller; S L K Hsam. 小麦资源胚乳蛋白Glu-1、Glu-3、Gli-1基因位点变异特点[J]. 作物学报, 2006, 32(04): 625-629
64. 李卫华; 许琦; 尤明山; 徐杰; 常成; 刘伟; 刘丽; 李保云; 刘广田. 小麦RIL群体中GMP含量的动态累积和净遗传增量的变化规律[J]. 作物学报, 2006, 32(05): 779-784
65. 赵广才. 不同种及类型小麦籽粒蛋白质含量动态变化的研究[J]. 作物学报, 1992, 18(03): 205-212
66. 周阳; 何中虎; 张改生; 夏兰琴; 陈新民; 高永超; 井赵斌; 于广军. 1BL/1RS易位系在我国小麦育种中的应用[J]. 作物学报, 2004, 30(06): 531-535
67. 高艾英; 吴长艾; 朱树生; 王宪泽. 山东省普通小麦醇溶蛋白Gli-1和Gli-2位点等位基因的遗传变异[J]. 作物学报, 2005, 31(11): 1460-1465
68. 李斯深; 尹承佾; 李晴祺; 王洪刚. 小麦异附加系数量性状的遗传分析[J]. 作物学报, 1994, 20(05): 570-577
69. 刘慧远; Kazuhiro Suenaga; 何中虎; 王竹林; 梁闪闪; 马均; Michel Bernard; Pierre Sourdille; 夏先春. 普通小麦白粉病成株抗性的QTL分析[J]. 作物学报, 2006, 32(02): 197-202
70. 刘芳; 孙根楼; 颜济; 杨俊良. 普通小麦和华山新麦草及其属间杂种F<sub>1</sub>同工酶分析[J]. 作物学报, 1992, 18(03): 169-175
71. 周琳璘; 宋国琦; 李红燕; 胡银岗; 何蓓如. 一个与小麦雄性不育育性转换相关的MADS-box转录因子基因[J]. 作物学报, 2008, 34(04): 598-604
72. 唐建卫; 刘建军; 张平平; 肖永贵; 张勇; 曲延英; 何中虎. 小麦Glu-1位点变异和1B/1R易位对谷蛋白亚基表达量和面包加工品质的影响[J]. 作物学报, 2008, 34(04): 571-577
73. 张平平; 肖永贵; 刘建军; 马鸿翔; 何中虎. SDS不溶性谷蛋白大聚体含量与和面仪参数的关系[J]. 作物学报, 2008, 34(06): 1074-1079
74. 岳向文; 赵法茂; 李天骄; 王宪泽. 小麦腺苷二磷酸葡萄糖焦磷酸化酶同工酶基因型与酶活性及淀粉含量的关系[J]. 作物学报, 2008, 34(09): 1644-1649
75. 王立新, 季伟, 李宏博, 葛玲玲, 信爱华, 王丽霞, 常利芳, 赵昌平. 以DNA位点纯合率评价小麦品种的一致性和稳定性[J]. 作物学报, 0, 0: 0-
76. 芦静, 何中虎, 夏先春, 吴新元, 李冬, 曹俊梅. 新疆小麦品种高分子量谷蛋白亚基及相关品质基因的分子标记检测[J]. 作物学报, 2009, 35(4): 647-661
77. 张坤普; 徐宪斌; 田纪春. 小麦籽粒产量及穗部相关性状的QTL定位[J]. 作物学报, 2009, 35(2): 270-278
78. 任妍; 梁丹; 张平平; 何中虎; 陈静; 傅体华; 夏先春. 中国和CIMMYT小麦品种Bx7亚基超量表达基因(Bx7<sup>OE</sup>)的分子检测[J]. 作物学报, 2009, 35(3): 403-411
79. 殷贵鸿; 王建武; 闻伟锷; 何中虎; 李在峰; 王辉; 夏先春. 小麦抗条锈病基因YrZH84的RGAP标记及其应用[J]. 作物学报, 2009, 35(7): 1274-1281
80. 殷贵鸿; 李根英; 何中虎; 刘建军; 王辉; 夏先春. 小麦新品种济麦22抗白粉病基因的分子标记定位[J]. 作物学报, 2009, 35(8): 1425-1431
81. 张平平; 马鸿翔; 姚金保; 何中虎. Glu-1位点等位变异及表达量对麦谷蛋白聚合体粒度分布的影响[J]. 作物学报, 2009, 35(9): 1606-1612
82. 张艳, 王彦飞, 陈新民, 王德森, Humieres G D, 冯建军, 何中虎. Mixolab参数与粉质、拉伸参数及面包烘烤品质的关系[J]. 作物学报, 2009, 35(9): 1738-1743
83. 韩俊, 张连松, 李根桥, 张宏涛, 解超杰, 杨作民, 孙其信, 刘志勇. 从野生二粒小麦导入普通小麦的抗白粉病基因MIWE18分子标记定位[J]. 作物学报, 2009, 35(10): 1791-1797

文章评论 (请注意: 本站实行文责自负, 请不要发表与学术无关的内容! 评论内容不代表本站观点.)

HTTP Status 404 -  
/zwxb/CN/comment/listCommentInfo.jsp

