

研究报告

粳稻SSR连锁图谱的构建及恢复系卷叶性状QTL分析

郭媛<sup>1</sup>, 程保山<sup>1, 2</sup>, 洪德林<sup>1, \*</sup>

<sup>1</sup>南京农业大学 作物遗传与种质创新国家重点实验室, 江苏 南京 210095; <sup>2</sup>江苏徐淮地区淮阴农业科学研究所, 江苏 淮安 223001; \* 通讯联系人, E-mail: [delinhong@njau.edu.cn](mailto:delinhong@njau.edu.cn)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 调查了粳稻品种秀水79 (P1)与粳稻恢复系C堡 (P2)及其衍生的254个重组自交系的SSR标记基因型和两个环境下主茎剑叶卷曲度, 构建了该组合的SSR标记连锁图谱并分析了剑叶卷曲度QTL及其与环境的互作。在检测的818对SSR引物中, 有90对引物在P1与P2之间扩增多态性条带。单标记回归分析显示有12个标记在两个环境下均显示与剑叶卷曲度呈极显著相关。74个信息位点构成的连锁图谱全长744.6 cM, 位点间平均图距10.1 cM。利用两种分析软件 WinQTLcart 2.5和QTLNetwork 2.0共同检测到3个QTL (qRL 1、qRL 7和qRL 8 1), 其中qRL 8 1是新发现的, 在两个环境下贡献率分别为15.5%和12.8%, 加性贡献率为6.6%, 且与环境不存在互作。

**关键词** [粳稻](#); [恢复系](#); [叶片卷曲度](#); [数量性状座位](#); [基因型与环境互作](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页: 郭媛<sup>1</sup>; 程保山<sup>1, 2</sup>; 洪德林<sup>1, \*</sup>

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(1893KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 包含“[粳稻](#); [恢复系](#); [叶片卷曲度](#); [数量性状座位](#); [基因型与环境互作](#)”的 [相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
- ▶ [郭媛<sup>1</sup>, 程保山<sup>1, 2</sup>, 洪德林<sup>1, \\*</sup>](#)