

研究报告

我国三系杂交稻主要不育系的微卫星标记多样性和遗传结构分析

彭锁堂¹,王海岗^{1,2},魏兴华^{2,*},吕建珍²,张晓丽^{1,2},袁筱萍²,杨武德¹

1山西农业大学 农学院, 山西 太谷 030801; 2中国水稻研究所 水稻生物学国家重点实验室, 浙江 杭州 310006

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 选取均匀分布在水稻12条染色体上的48对SSR引物,对28份我国杂交水稻主要不育系进行了多样性和遗传结构分析。在所分析的48个位点中,多态性位点41个,多态性位点百分率(P)为85.4%;每1个位点平均等位基因数(A)为3.5,变幅2~6个;平均基因多样性指数(He)和平均多态性信息含量指数(PIC)分别为0.40和0.36。AMOVA分析表明,不育系遗传变异主要存在于各选育时期内,时期间的遗传变异仅占总变异的3.3%,且未达到显著水平。基于模型的遗传结构分析表明,我国三系杂交稻主要不育系多数含有相近血缘,背景单一。

关键词 [杂交水稻](#) [不育系](#) [遗传结构](#) [遗传多样性](#) [微卫星标记](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [彭锁堂¹](#); [王海岗^{1,2}](#); [魏兴华^{2,*}](#); [吕建珍²](#); [张晓丽^{1,2}](#); [袁筱萍²](#); [杨武德¹](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(495KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“杂交水稻”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [彭锁堂¹](#)
 - [王海岗^{1,2}](#)
 - [魏兴华^{2,*}](#)
 - [吕建珍²](#)
 - [张晓丽^{1,2}](#)
 - [袁筱萍²](#)
 - [杨武德¹](#)