

基于AFLP的燕麦遗传多样性研究

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用AFLP分子标记技术对来自中国、加拿大、澳大利亚和欧洲等国家的34个有代表性的饲用燕麦品种及8个裸燕麦品种进行遗传多样性分析,从30对EcoRI/MseI引物组合中筛选出5对多态性和清晰度较高的引物组合,共获得268条带,其中多态带185条,平均多态性检出率为69.0%,EAGG/MCTA的扩增效率最高达78.6%。由Nei's指数(h)估测,供试品种平均变异为0.1664,平均Shannon's信息指数估计值为0.2206;42个燕麦品种间遗传相似系数为0.4881~0.9880,遗传距离的变化范围是0.0120~0.7172。通过AFLP数据构建燕麦的UPGMA系统树,在遗传相似系数0.748水平,所有供试品种可聚为6类。皮燕麦与裸燕麦在遗传相似度0.59处被明显分为2类,与形态学分类结果一致。由AFLP揭示的品种间遗传关系与品种实际来源基本一致,品种的遗传距离与其地理分布关系密切。

关键词 [燕麦](#); [遗传多样性](#); [AFLP](#); [聚类分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(730KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中包含“燕麦;遗传多样性;AFLP;聚类分析”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)