

无栏目

节节麦抗穗发芽基因的染色体定位及其抗性机理

兰秀锦 四川农业大学小麦研究所

兰秀锦 四川农业大学小麦研究所 都江堰,611830

郑有良 四川农业大学小麦研究所 都江堰,611830

刘登才 四川农业大学小麦研究所 都江堰,611830

魏育明 四川农业大学小麦研究所 都江堰,611830

颜泽洪 四川农业大学小麦研究所 都江堰,611830

周永红 四川农业大学小麦研究所 都江堰,611830¹

节节麦²

育种³

小麦⁴

抗穗发芽⁵

基因定位⁶

利用长休眠的河南节节麦与四倍体小麦矮兰麦杂交并经人工加倍合成的新六倍体小麦RSP,其节节麦抗穗发芽特性得到表达。通过对RSP不同灌浆期及不同发芽处理研究表明,在开花后35d的穗发芽高峰期其发芽率也仅为6.06%。其抗穗发芽的因素主要来自种子的抑制,麦穗的机械作用和颖壳内含物的抑制较次。利用RSP对节节麦的抗穗发芽基因进行定位分析,结果表明,RSP的抗穗发芽基因是隐性单基因位于2D染色体上。2002⁷

35⁸

1⁹

16¹⁰

6¹¹

21¹²

2002-35-1-16-21¹³

大豆籽粒中异黄酮含量的遗传初步分析¹⁴

孙君明 中国农业科学院作物育种栽培研究所农业部作物遗传育种重点开放实验室 北京,100081

丁安林 中国农业科学院作物育种栽培研究所农业部作物遗传育种重点开放实验室 北京,100081

常汝镇 中国农业科学院作物品种资源研究所 北京,100081¹⁵

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 选用6个异黄酮含量不同的大豆品种,配制15个杂交组合,按随机区组设计,初步分析了大豆异黄酮含量的遗传。结果显示,杂种F2代异黄酮含量的遗传方式具有数量性状遗传特点,遗传机制呈累加作用;F1、F2代异黄酮含量一般介于双亲之间的中间型,F2代接近中亲值,且在大部分组合中表现杂种优势,也有部分超亲优势现象;F2代部分组合中的广义遗传力表现较高,可以在F2代进行初步的遗传选择;杂种后代与中亲值呈显著的正相关。

关键词 [大豆 \(Glycine max\)](#) [籽粒](#) [异黄酮](#) [遗传](#)

分类号 [15](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:

兰秀锦 四川农业大学小麦研究所

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(331KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“大豆 \(Glycine max\)” 的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

▶ [兰秀锦 四川农业大学小麦研究所](#)