

畜牧·兽医·资源昆虫

利用RAPD标记分析柞蚕品种资源的亲缘关系

刘彦群,鲁成,秦利,向仲怀

南开大学

收稿日期 2005-7-6 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 【目的】从分子水平揭示柞蚕品种资源之间的遗传关系,为柞蚕的育种及种质资源的利用提供依据。【方法】利用RAPD (random amplified polymorphic DNA) 技术,对来自中国6个主要柞蚕产区的66个品种(系)和2个朝鲜的品种的基因组DNA多态性进行分析。根据扩增结果计算单匹配相似系数,用Neighbor-Joining法构建聚类图。【结果】筛选出的33个随机引物对68个柞蚕品种(系)共扩增出296条DNA带,其中多态性带269条(90.88%)。品种间的成对遗传距离在0.120~0.324之间,主要集中在0.200~0.300之间,有99.05%的品种对的遗传距离小于0.300。聚类分析表明,供试的68个柞蚕品种(系)聚为6个类群,并表现出按目前所在地域(产地)聚类的特性。【结论】柞蚕品种资源之间的遗传差异较小,并且遗传聚类与其目前的地理分布有密切相关性。

关键词 [柞蚕](#) [品种](#) [RAPD](#) [遗传关系](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

鲁成

作者个人主页: [刘彦群](#); [鲁成](#); [秦利](#); [向仲怀](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(320KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“柞蚕”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [刘彦群](#)

· [鲁成](#)

· [秦利](#)

· [向仲怀](#)