中国农业科学杂志 2004 37 (01): 1 ISSN: 0578-1752 CN: 11-1328/S

无栏目

水稻中富含亮氨酸的重复序列和核苷酸结合位点(LRR-NBS)基因家族的生物信息学分析

@孙学辉$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081@路铁刚$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081 @贾士荣$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081 @黄大昉$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用HMM(HiddenMarkovModel) ,对源于日本晴的粳稻 (国际水稻测序计划 ,IRGSP)基因组和 9311的籼稻基因组 (北京华大 ,BGI)的蛋白质数据库进行了搜索 ,分别获得了 32 5和 344个富含亮氨酸的重复序列和核苷酸结合位点 (leucinerichrepeat-nucleotidebindingsite ,LRR -NBS)类的抗病基因的蛋白序列 ,并得到了与这些蛋白相应的cDNA序列。对粳稻蛋白功能结构域的分析表明 ,多个蛋白具有与植物防卫反应相关的结构域 ,还发现多个蛋

关键词 水稻 生物信息学 抗病基因 基因家族 LRR-NBS

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: @孙学辉$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081@路铁刚$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081 @贾士荣$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081 @黄大昉$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081

扩展功能

本文信息

Supporting info

PDF(433KB)

[HTML全文](0KB)

参考文献[PDF]

参考文献

服务与反馈

把本文推荐给朋友

加入我的书架

加入引用管理器

引用本文

Email Alert

文章反馈

浏览反馈信息

相关信息

本刊中 包含“水稻”的 相关文章

本文作者相关文章

· @孙学辉$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081@路铁刚$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081 @贾士荣$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081 @黄大昉$中国农业科学院生物技术研究所!北京100081