作物遗传育种·种质资源

用等位基因特异PCR检测普通小麦(Triticum aestivum L.)的单核苷酸多态性

卫波,景蕊莲,王成社,昌小平

中国农业科学院作科所

收稿日期 2005-9-21 修回日期 2006-3-29 网络版发布日期 接受日期

摘要 【目的】以2份六倍体小麦Opata85和W7984及其重组近交系(RIL)的111个株系和3份小麦二倍体野生近缘种为材料,研究用等位基因特异PCR检测普通小麦中单核苷酸多态性的方法。【方法】利用直接测序的方法检测2份六倍体小麦和3份小麦二倍体野生近缘种TaDREB1基因的DNA序列,在B基因组上发现了2个SNPs。以其为3?端,设计等位基因特异引物及其互补引物,对SNP进行分型,同时研究了特异引物3?端碱基错配对等位基因特异PCR的影响,优化了PCR反应体系。【结果】等位基因特异引物3?端不同位置的碱基错配及不同类型的碱基错配对PCR结果影响较大;在等位基因特异PCR中,Mg2+、dNTP及Taq DNA聚合酶的用量均大于普通PCR。【结论】只要在等位基因特异引物3?端加上合适的错配碱基,并且优化其PCR反应体系,用等位基因特异PCR方法检测六倍体小麦中的单核苷酸多态性是可行的。

关键词 六倍体小麦,单核苷酸多态性,等位基因特异PCR,碱基错配

分类号

DOI:

通讯作者:

卫波 weibo009 weibo_009@yahoo.com.cn 作者个人主页:卫波;景蕊莲;王成社;昌小平

扩展功能

本文信息

- Supporting info
- ▶ <u>PDF</u>(378KB)
- ▶ [HTML全文](OKB)
- ▶ 参考文献[PDF]
- ▶参考文献

服务与反馈

- ▶把本文推荐给朋友
- ▶ 加入我的书架
- ▶加入引用管理器
- ▶引用本文
- ► Email Alert
- ▶文章反馈
- ▶浏览反馈信息

相关信息

- ▶ 本刊中 包含"六倍体小麦,单核苷酸多态性,等位基因特异PCR,碱基错配"的 相关文章
- ▶本文作者相关文章
- · 卫波
- 景蕊莲
- · 王成社
- 昌小平