

作物遗传育种·种质资源

原、异位保存普通野生稻种质资源的遗传多样性比较研究

杨庆文,余丽琴,张万霞,陈大洲,时津霞,任军方,苗晗

中国农科院品资所

收稿日期 2004-7-12 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 为了明确我国异位保存的普通野生稻是否能够代表原居群遗传多样性的完整性,利用SSR(简单序列重复)方法对江西省东乡县庵家山和水桃树2个普通野生稻居群的原、异位群体进行了遗传多样性比较研究。结果表明,庵家山居群原、异位保存群体的遗传多样性指数分别为0.5000和0.3555,异位保存群体的遗传多样性只有原位保存群体的71.1%,并且异位保存材料在聚类图中聚集在一起,仅为原位保护材料聚类图中的一个分支;虽然水桃树居群原、异位群体的遗传多样性指数分别为0.4100和0.4577,相差较小,并且原、异位保存材料在聚类图中混合聚类,似乎异位保存群体能够代表原居群的遗传多样性,但异位保存的14份材料在聚类图中有6份相邻的材料聚集在一起,说明异位保存取样时没有考虑野生稻植株的空间分布,属于重复取样,重复取样的比率高达42.9%。将2个分布点原、异位材料合并进行遗传多样性研究,结果与庵家山分布点的研究结果基本一致。据此推测我国保存的普通野生稻资源所包含的遗传变异相对较少,重复频率较高。建议进行普通野生稻遗传资源的再收集,并对已保存的野生稻种质资源进行全面鉴定,剔出重复样品。

关键词 [普通野生稻](#),[SSR](#),[遗传多样性](#),[原生境保护](#),[异位保护](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

杨庆文 qwyang@mail.caas.net.cn

作者个人主页: 杨庆文;余丽琴;张万霞;陈大洲;时津霞;任军方;苗晗

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(362KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“普通野生稻,SSR,遗传多样性,原生境保护,异位保护”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [杨庆文](#)

· [余丽琴](#)

· [张万霞](#)

· [陈大洲](#)

· [时津霞](#)

· [任军方](#)

· [苗晗](#)