## 无栏目

转溶菌酶基因水稻稻瘟病抗谱分析

许明辉 云南省农业科学院生物技术研究所

许明辉 云南省农业科学院生物技术研究所 昆明650223

李成云 云南省农业科学院生物技术研究所 昆明650223

李进斌 云南省农业科学院植物保护研究所 昆明650205

谭学林 云南农业大学稻作研究所 昆明650201

田文忠 中国科学院遗传与发育生物学研究所 北京100101

唐祚舜 中国科学院遗传与发育生物学研究所 北京100101

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 用来源于云南各地属于 4 8个稻瘟病菌 (Magnaporthegrisea)生理小种的 6 3个菌株 ,对受体品种南 29及其 10个T0 代转溶菌酶基因水稻植株繁衍的 36个T5代品系进行温室接种鉴定。结果表明, 受体品种南 2 9对38.1%的菌株 (2 4个 )表现抗病 ,转基因品系对 72 %以上的菌株表现抗病 ,对稻瘟病的抗性比对照大幅度 Email Alert 提高,证明溶菌酶基因对稻瘟病具有一定的广谱抗性;不同TO代植株甚至同一植株繁衍的品系对稻瘟病的抗性并 不相同。大田稻瘟病诱发鉴定结果证实,转基因水稻叶稻

关键词 水稻,溶菌酶基因,转基因水稻,稻瘟病,抗谱

分类号 392

DOI:

## 扩展功能

## 本文信息

- Supporting info
- ▶ PDF (OKB)
- ▶ [HTML全文](OKB)
- ▶参考文献[PDF]
- ▶ 参考文献

服务与反馈

- ▶把本文推荐给朋友
- ▶加入我的书架
- ▶加入引用管理器
- ▶引用本文
- ▶ 文章反馈
- ▶ 浏览反馈信息

相关信息

- ▶ 本刊中 包含"水稻,溶菌酶基因,转 基因水稻,稻瘟病,抗谱"的 相关文章
- ▶本文作者相关文章
- · 许明辉 云南省农业科学院生物技术 研究所

## 通讯作者:

作者个人主页: 许明辉 云南省农业科学院生物技术研究所