



当前位置: 首页 > 科研成果 > 高水平论文

### Transcriptome and QTL analyses reveal candidate genes for fiber quality in Upland cotton

期刊名称	The Crop Journal	发表年份	2020
全部作者			
访问统计	494	添加时间	2021年09月18日

论文简介: 本研究基于前期得到的1个F2群体、1个重组自交系群体和2个永久回交群体得到了15个在多群体或者多年分稳定检测的QTL位点。基于转录组测序,在两年亲本间发育10天的纤维进行差异基因鉴定,得到了780个差异基因。通过对QTL和转录组结果联合分析,在9个QTL区间内得到31个基因,其中有9个在纤维中优异表达的基因。在这9个基因中,有7个基因在纤维伸长期高量表达,2个基因在纤维次生壁加厚期高量表达。该研究为解析棉花纤维发育进程提供了基因资源。

原文链接: <https://doi.org/10.1016/j.cj.2019.05.002>

打印本页

