



张立超

职 称

- 副研究员

电 话

- 010-82105834

电子邮件

- zhanglichao@caas.cn

创新团队

- 小麦基因资源发掘与利用

研究组

- 小麦基因资源挖掘与利用

研究中心

- 作物基因与分子设计中心

组 员:

- 孔秀英, 夏川

研究生

- 毕晨曦 (2017级, 联合培养)
- 吕宝莲 (2020级, 联合培养)
- 王唤唤 (2021级)

教育经历

- 2010.09-2013.07 中国农业科学院作物科学研究所 博士
- 2006.09-2009.07 中国农业科学院作物科学研究所 硕士
- 2002.09-2006.07 西北农林科技大学 学士

工作经历

- 2017.01-今 中国农科院作物科学研究所 副研究员
- 2013.07-2017.01 中国农科院作物科学研究所 助理研究员

研究方向

- 小麦基因资源挖掘平台的建立
- 小麦产量性状基因的克隆与利用

学术兼职

- 无

荣誉称号

- 2020年获中国农学会青年科技奖
- 2019年1月入选所级青年后备人才

获奖成果

- 无

承担项目

- 国家自然科学基金面上项目：TabZIP15基因调控小麦非生物抗性的功能和分子机制研究
- 国家自然科学基金面上项目：小麦叶片衰老基因TaLS-2D的功能及其分子机制研究
- 国家自然科学基金青年项目：小麦抽穗期相关转录因子TaMYB72的功能分析
- 国家重点基础研究发展计划子课题：小麦株型形成关键功能基因与调控网络
- 国家重点研发计划子课题：小麦突变体库的建设与应用
- 学科优化布局专项—交叉学科创新：小麦主要农艺性状高通量自动化采集平台构建及其应用
- 21年基本科研业务费-所统筹-前沿基础研究与创新利用（揭榜挂帅）：小麦与大豆高产、抗逆关键基因克隆与分子机理解析

审定品种

- 无

主要论文

- **Zhang L***, Dong C*, Chen Z*, Gui L, Chen C, Li D, Xie Z, Zhang Q, Zhang X, Xia C, Liu X, Kong X, Wang J. WheatGmap: a comprehensive platform for wheat gene mapping and genomic studies. **Molecular Plant**. 2021, 14: 187–190, (*Co-first Author) [下载](#)
- Bi C, Yu Y, Dong C, Yang Y, Zhai Y, Du F, Xia C, Ni Z*, Kong X*, **Zhang L***. The bZIP transcription factor TabZIP15 improves salt stress tolerance in wheat. **Plant Biotechnology Journal**, 2021 19: 209-211. (*Co-corresponding author) [下载](#)
- Dong C*, **Zhang L***,†, Chen Z*, Xia C, Gu Y, Wang J, Li D, Xie Z, Zhang Q, Zhang X, Gui L, Liu X, Kong X. Combining a new exome capture panel with an effective varBScore algorithm accelerates BSA-based gene cloning in wheat. **Front in Plant Sci**, 2020, 11: 1249. (*Co-first Author) [下载](#)

[more](#)

主要著作

- 无

授权专利

- 无
- TaYgl蛋白及其编码基因在调控小麦叶色中的应用

制定标准

- 无

