

2020年10月8日 星期四 10:48:54

信息查询: 

生命科学学院

[首页](#) [学院概况](#) [师资队伍](#) [本科生教育](#) [研究生教育](#) [科学研究](#) [招生就业](#) [党建工作](#) [学生工作](#) [校友之家](#) [省部级科技平台](#)

当前位置: 首页 资料库

潘磊副教授

发布者: 王维 发布时间: 2018-05-17 浏览次数: 1314



一、个人基本信息

潘磊（1980-），男，汉族，中共党员；博士，副教授，硕士生导师；现为江汉大学生命科学学院植物科学系教师，湖北省食用豆类植物自然科技资源中心秘书长兼学术委员会委员，湖北省豆类（蔬菜）植物工程技术研究中心成员，湖北省遗传学会会员、湖北省植物生理学会会员、湖北省园艺学会会员。

二、主要学习工作经历

2000.9-2004.6: 江汉大学农学系，学士

2005.9-2010.6: 武汉大学遗传学系，博士

2010.7-2012.6: 中科院武汉植物园, 助理研究员

2012.7-2015.11: 江汉大学植物科学系, 讲师

2015.12-至今: 江汉大学植物科学系, 副教授

2015.8-2015.12: 西安外国语大学, 教育部国家留学基金委出国英语培训

2018.1-2019.1: The George Washington University (美国), 国家公派访问学者

三、主讲课程

《植物育种学》、《文献检索》、《植物生理学》、《果蔬加工工艺学》

四、荣誉及获奖

曾获“十一五”湖北省高校科技成果转化提名奖1项、武汉市科技进步二等奖2项、湖北省优秀学士论文指导教师、江汉大学“优秀实习指导老师”、江汉大学青年教师教学竞赛三等奖等荣誉奖励。

五、科学研究

1. 主要研究方向

食用豆类植物自然种质资源收集、保护与利用

豇豆等豆类蔬菜的遗传育种与分子生物学

2. 主要科研项目

- (1) 国家自然科学基金项目“基于RAD-seq技术的豇豆基因组SNP与耐盐相关性状的关联分析”（主持人），项目编号31501369，2016-2018
- (2) 湖北省自然科学基金项目“豇豆耐盐性的分子遗传机制及其应用研究”（主持人），项目编号2013CFB213，2014-2015
- (3) 湖北省自然科学基金项目“项目名称：豇豆荚长变异相关基因的QTL定位研究”（主持人），项目编号2017CFB442，2018-2019
- (4) 武汉市科技攻关项目“豇豆豆荚产量性状与SSR分子标记的关联作图研究”（主持人），项目编号2013021001010478，2013-2014
- (5) 武汉市教育局项目“MOOC背景下的《植物育种学》课程教学改革与实践”（主持人），项目编号2015071，2015-2017
- (6) 江汉大学高层次人才科研启动经费项目“长豇豆基因组SSR分子标记的开发及其应用研究”（主持人），项目编号：2013027，201-2015

- (7) 湖北省豆类（蔬菜）植物工程技术研究中心开放基金项目“湖北地区主栽豆类蔬菜的品种分子指纹图谱研究”（主持人），项目编号2014-10, 2014-2015
(8) 湖北省食用豆类植物自然科技资源中心主任基金项目“豇豆属远缘杂交育种研究”（主持人），项目编号2017-ZR01, 2017-2018

3. 主要学术论文

- Lei Pan**, Nian Wang, Zhihua Wu, Rui Guo, Xiaolu Yu, Yu Zheng, Qiuju Xia, Songtao Gui, Chanyou Chen. A high-resolution genetic map derived from RAD sequencing and its application in QTL analysis of yield-related traits in *Vigna unguiculata*. *Frontiers in Plant Sciences*, 2017, 8:1544.
- Lei Pan**, Xiaolei Wang, Jing Jin, Xiaolu Yu, Jihong Hu. Bioinformatic identification and expression analysis of *Nelumbo nucifera* MicroRNA and their targets. *Applications in Plant Sciences*, 2015, 3(9):1500046.
- Lei Pan**, Yi Li, Rui Guo, Hua Wu, Zhihui Hu, Chanyou Chen. Development of 12 chloroplast microsatellite markers in *Vigna unguiculata* (Fabaceae) and amplification in *Phaseolus vulgaris*. *Applications in Plant Sciences*, 2014, 2(3): 1300075.
- Lei Pan**, Zhiwu Quan, Jihong Hu, Guangyong Wang, Shunan Liu, Ying He, Weidong Ke, Yi Ding. Genetic diversity and differentiation of lotus (*Nelumbo nucifera*) accessions assessed by simple sequence repeats. *Annals of Applied Biology*, 2011, 159(3):428-441.
- Lei Pan**, Qiuju Xia, Zhiwu Quan, Honggao Liu, Weidong Ke, Yi Ding. Development of novel EST-SSRs markers from sacred lotus (*Nelumbo nucifera* Gaertn.) and their utilization for the genetic diversity analysis of *Nelumbo nucifera*. *Journal of Heredity*, 2010, 101(1):71-82.
- Lei Pan**, Zhiwu Quan, Shuangmei Li, Honggao Liu, Xinfang Huang, Weidong Ke, Yi Ding. Isolation and characterization of microsatellite markers in the sacred lotus (*Nelumbo nucifera* Gaertn.). *Molecular Ecology Notes*, 2007, 7(6):1054-1056.
- Jihong Hu, **Lei Pan**, Honggao Liu, Shuzhen Wang, Zhihua Wu, Weidong Ke, Yi Ding. Comparative analysis of genetic diversity in sacred lotus (*Nelumbo nucifera* Gaertn.) using AFLP and SSR markers. *Molecular Biology Reports*, 2012, 39(4): 3637-3647.
- Yue Pan, **Lei Pan**, Liang Chen, Lingling Zhang, Eviatar Nevo, Junhua Peng. Development of microsatellite markers in the oil-producing species *Vernicia fordii* (Euphorbiaceae), a potential biodiesel feedstock. *Applications in Plant Sciences*, 2013, 1(7):1200004.
- Honggao Liu, Jihong Hu, **Lei Pan**, Shuzhen Wang, Ying He, Yi Ding. Robust ordered mRNA differential display: an improved method for global gene expression profiling. *BioTechniques*. 2011, 51(4):271-275.
- Lingling Zhang, Bo Wang, **Lei Pan**, Junhua Peng. Recycling isolation of plant DNA, a novel method. *Journal of Genetics and Genomics*, 2013, 40(1):45-54.
- Zhihua Wu, Songtao Gui, Zhiwu Quan, **Lei Pan**, Shuzhen Wang, Weidong Ke, Dequan Liang, Yi Ding. A precise chloroplast genome of *Nelumbo*

nucifera (Nelumbonaceae) evaluated with Sanger, Illumina MiSeq, and PacBio RS II sequencing platforms:insight into the plastid evolution of basal eudicots. *BMC Plant Biology*, 2014, 14:289.

Yu Zheng, Yue Ding, Xuan Sun, Sisi Xie, Dan Wang, Xiaoyun Liu, Lufang Su, Wei Wei, **Lei Pan**, Dao-Xiu Zhou. Histone deacetylase HDA9 negatively regulates salt and drought stress responsiveness in *Arabidopsis*. *Journal of Experimental Botany*, 2016, 67(6):1703-1713.

Hua Zhao, Bo Wang, Junrong He, Junpin Yang, **Lei Pan**, Dongfa Sun, Junhua Peng. Genetic diversity and population structure of *Miscanthus sinensis* germplasm in China. *PloS one*, 2013, 8(10): e75672.

Jihong Hu, **Lei Pan**, Honggao Liu, Shuzhen Wang, Zhihua Wu, Weidong Ke, Yi Ding. Comparative analysis of genetic diversity in sacred lotus (*Nelumbonucifera* Gaertn.) using AFLP and SSR markers. *Molecular Biology Reports*, 2012, 39(4): 3637-3647.

Shuzhen Wang, **LeiPan**, Kan Hu, Chanyou Chen, Yi Ding. Development and characterization of polymorphic microsatellite markers in *Momordica Charantia* (Cucurbitaceae). *American Journal of Botany*, 2010, 97:e75-e78.

Shunan Liu, **LeiPan**, Qionghui Wu, Yaojun Hu, Xiaojun Chen, Yi Ding. Study of the changes in insoluble polysaccharides during pollen development in rice (*Oryza sativa* L.) by microscopic multispectral imaging. *Microscopy and Microanalysis*, 2010, 16:488-501.

Zhiwu Quan, **LeiPan**, Weidong Ke, Yi Ding. Polymorphic microsatellite markers in *Euryale ferox* Salisb. (Nymphaeaceae). *Molecular Ecology Resources*, 2009, 9:330-332.

Zhiwu Quan, **LeiPan**, Weidong Ke, Yiman Liu, Yi Ding. Sixteen polymorphic microsatellite markers from *Zizania latifolia* Turcz. (Poaceae). *Molecular Ecology Resources*, 2009, 9:887-889.

4. 专利

- (1) 豇豆叶绿体微卫星分子标记的多态性引物及其筛选方法、鉴定亲缘关系的方法 (专利号ZL201410074030.7), 国家发明专利, 2017, 排序第一.
- (2) 一种菜豆植物凝集素凝血活性定量检测方法 (专利号ZL201310532286.3), 国家发明专利, 2016, 排序第三.
- (3) 菠菜有机生态型无土栽培方法(专利号ZL201410374872.4), 国家发明专利, 2015, 排序第四.
- (4) 一种用于菜豆毒性的快速检测方法(专利号ZL201410413634.X) , 国家发明专利, 2015, 排序第七.

江

Copyright © 江汉大学 版权所有 鄂ICP备05003327
地址：湖北武汉经济技术开发区 邮编：430056 电话：027-84230422