

研究论文

## F<sub>2:3</sub>设计全基因组标

万素琴<sup>1</sup>, 邵艳华

<sup>1</sup>南京农业大学作物遗传与种质创

收稿日期 2007-3-26 修回日期 网络版发布日期 2007-11-20 接受日期 2007-7-31

摘要 数量性状的遗传率低时, 常采用F<

关键词 [贝叶斯压缩估计](#) [数量性状基因座](#)

分类号

## Bayesian Analysis of All Marke

WAN Su-Qin<sup>1</sup>, SHAO Ya

<sup>1</sup> State Key Laboratory of Crop

**Abstract** In the inheritance analysis of

**Key words** [Bayesian shrinkage estimation](#)

DOI:

通讯作者 章元明 [soy Zhang@hotmail.com](mailto:soy Zhang@hotmail.com)

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(OKB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“贝叶斯压缩估计”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [万素琴](#)

· [邵艳华](#)