

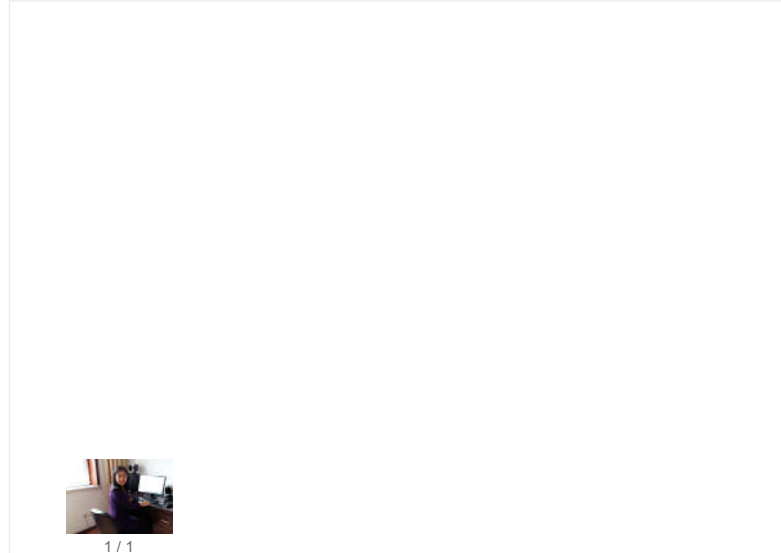
输入关键字

提交查询内容

[学校首页](#) | [加入收藏](#) | [设为首页](#)  
[首 页](#)  
[学院概况](#)  
[学科建设](#)  
[师资队伍](#)  
[科研工作](#)  
[农学校友](#)  
[学生工作](#)  
[党群工作](#)

[师资队伍](#)[院士风采](#)[作物栽培与耕作教研室](#)[作物遗传育种教研室](#)[种子科学与工程教研室](#)[应用气象学教研室](#)[大气科学教研室](#)[生态学教研室](#)[农村区域发展教研室](#)[行政服务中心](#)[水稻研究所](#)[实验教学中心](#)[兼职教授](#)[荣休教师](#)当前位置: [首页](#) > [师资队伍](#) > [作物遗传育种教研室](#)

王韵



<b>姓 名</b>	王韵	<b>性 别</b>	女
<b>出生日期</b>	1981. 01. 30	<b>政治面貌</b>	中共党员
<b>所在学科</b>	作物遗传育种	<b>职 称</b>	副教授
<b>最高学位</b>	博士研究生		
<b>硕士生导师</b>	是	<b>博士生导师</b>	否
<b>个人简历:</b> 2000. 09 - 2004. 07 沈阳农业大学, 农学院, 本科 2004. 09 - 2009. 07 沈阳农业大学, 水稻研究所, 博士研究生 (硕博连读) 2010. 03 - 2012. 06 中国农业科学院, 作物科学研究所, 博士后 2009. 07至今 沈阳农业大学, 农学院遗传育种教研室			
<b>联系方式:</b> 电子邮箱:wangyunli55555@163. com, 电话:13654148759、 <b>通讯地址:</b> 辽宁省沈阳市沈河区东陵路120号			
<b>社会职务:</b> 无			
<b>教学工作:</b> 遗传学I (本科生), 作物生物技术基础 (本科生), 作物育种学实验 (本科生), 作物生物技术实验 (本科生), 植物种质资源与育种应用 (本科生) .....			
<b>研究方向:</b> 水稻数量性状基因的克隆及基因进化分析			
<b>课题项目:</b> (1) 主持国家自然科学基金面上项目“控制水稻源库性状SS2基因的克隆与生理功能解析”(31071061) 2011. 1-2011. 12 (2) 主持国家自然科学基金青年基金项目“控制水稻库、源性状SS2基因的克隆及其等位基因多样性分析”(31301285), 2014. 1-2016. 12 (3) 主持农业部948重点项目“全基因组选择育种技术引进B (2011-G2B)” (子课题), 2012. 1-2015. 12			
<b>论文著作:</b> (1) Wang Y, Zang JP, Sun Y, Ali JH, Xu ZJ, Xu JL*, Li ZK, Identifying genetic overlaps for salt and drought tolerance using simple sequence repeat (SSR) markers in an advanced backcross population in rice, Crop Sci, 2012, 52, 1583 - 1592 (SCI) (2) Wang Y, Zang JP, Sun Y, Ali JH, Xu JL*, Li ZK, Background-independent quantitative trait loci for drought tolerance identified using advanced backcross introgression lines in rice, Crop Sci, 2013, 53, 430 - 441 (SCI) (3) Wang Y, Zhang Q, Zheng TQ, Cui YR, Zhang WZ, Xu JL*, Li ZK, Drought tolerance QTLs commonly detected in two sets of reciprocal introgression lines in rice, Crop & Pasture Science, 2014, 65(2):171 - 178 (SCI) (4) Zheng TQ, Wang Y ★, Ali AJ, Zhu LH, Sun Y, Zhai HQ, Mei HW, Xu ZJ, Xu JL*, Li ZK, Genetic effects of background-independent loci for grain weight and shape identified using advanced reciprocal introgression lines from Lemont × Teqing in rice, Crop Sci, 2011, 51, 2525 - 2534 (SCI) 共同第一作者			

<p>(5) Cheng LR, Wang Y ★, Meng LJ, Hu X, Cui YR, Sun Y, Zhu LH, Ali JH, Xu JL*, Li ZK, Identification of salt-tolerant QTLs with strong genetic background effect using two sets of reciprocal introgression lines in rice, Genome, 2012, 55, 45 - 55 (SCI) 共同第一作者</p> <p>(6) 王韵, 程立锐, 孙勇, 周政, 朱苓华, 徐正进, 徐建龙, 黎志康, 利用双向导入系解析水稻抽穗期和株高QTL及其与环境互作表达的遗传背景效应, 作物学报, 2009, 35(8): 1386 - 1394</p> <p>(7) 王韵, 程立锐, 郑天清, 孙勇, 周政, 杨静, 徐正进, 徐建龙, 黎志康, 影响水稻株高和剑叶宽主效QTL对人工选择的响应, 中国水稻科学, 2009, 23(4): 363 - 370</p> <p>(8) 参编全国高等农林院校“十二五”规划教材《遗传学习题全解》</p> <p>国家发明专利</p> <p>(1) 徐建龙, 王韵, 黎志康, 郑天清, 赵秀琴, 孙勇. 一种水稻库源新基因 (SS1) 的紧密连锁分子标记, 2013.9, ZL 2011 1 0253646.7</p> <p>(2) 徐建龙, 王韵, 黎志康, 孙勇. 一种水稻库源新基因 (SS2) 的紧密连锁分子标记, 2013.8, ZL 2011 1 0413506.1</p>
<p>奖励情况:</p> <p>(1) 论文《影响水稻株高和剑叶宽主效QTL对人工选择的响应》获辽宁省自然科学学术论文类二等奖, 证书编号: 2010-LNL0323</p> <p>(2) 论文《Identification of genetic overlaps for salt and drought tolerance using simple sequence repeat markers on an advanced backcross population in rice.》辽宁省自然科学学术成果奖学术论文类一等奖, 证书编号: 2013-LNL1796</p>
<p>其他需要说明问题:</p>

上一篇: [王宏伟](#)

下一篇: [于翠梅](#)

友情链接

电话: 024-88487135 邮编: 110866 通讯地址: 沈阳市沈河区东陵路120号

今日: 昨日: 本月: 全部: [辽ICP备05001374号](#)

推荐使用IE8或更高版本浏览本站 网站制作: C&C工作室 电子信箱: [82948056@qq.com](mailto:82948056@qq.com)