

研究论文

重要抗源京核8811品系抗小麦条锈病主效基因的单体分析

张敬原, 徐世昌, 张书绅, 赵文生, 张继新

北京市农林科学院北京农业生物技术研究中心

收稿日期 1999-12-10 修回日期 2000-6-26 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用单体分析技术, 用中国小麦条锈菌优势小种CY31和埃塞俄比亚菌系35E134的单孢菌系对重要抗源京核8811品系进行抗条锈基因分析及定位。结果表明: 京核8811含有抗35E134菌系、位于2A染色体上和抗CY31菌系、位于4D染色体上的两对显性抗条锈基因, 二者均控制0-0;的侵染型。异同比较显示, 定位基因不同于国际上已定名的抗条锈基因, 谓之新基因, 暂定名为YrJh1和YrJh2。YrJh2具有比YrJh1更宽的抗性谱, 二者同时存在, 使京核8811具有较强的抗条锈性, 抗中国目前所有小种, 建议作为重要抗源利用。

关键词 [小麦抗条锈性](#) [主效基因](#) [单体分析](#)

分类号 [S512.1](#)

Monosomic Analysis of Resistance to Stripe Rust for Source Wheat Line Jinghe 8811

Zhang Jingyuan, Xu Shichang, Zhang Shushen, Zhao Wensheng, Zhang Jixin

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者 张敬原

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(231KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“小麦抗条锈性”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [张敬原](#)
- [徐世昌](#)
- [张书绅](#)
- [赵文生](#)
- [张继新](#)