

研究论文

利用“永久F<sub>2</sub>”群体剖析玉米产量及其相关性状的遗传机制

汤继华<sup>1,2</sup>, 严建兵<sup>1</sup>, 马西青<sup>1</sup>, 腾文涛<sup>1</sup>, 孟义江<sup>1</sup>, 戴景瑞<sup>1</sup>, 李建生<sup>1,\*</sup>

<sup>1</sup>中国农业大学国家玉米改良中心, 北京 100094; <sup>2</sup>河南农业大学农学院, 河南郑州 450002

收稿日期 2006-10-16 修回日期 网络版发布日期 2007-7-23 接受日期 2007-1-19

**摘要** 利用RIL群体构建了一套包含441个杂交组合的玉米“永久F<sub>2</sub>”群体, 通过253个SSR标记的等位基因频率分析, 发现“永久F<sub>2</sub>”群体的遗传组成与基因频率与F<sub>2</sub>群体相似, 理论上可以代替F<sub>2</sub>群体进行相关遗传研究。通过两年一点的田间试验, 利用复合区间作图法对玉米产量及其3个主要构成因

**关键词** [玉米](#) [“永久F<sub>2</sub>”群体](#) [产量性状](#) [QTL分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

李建生 [lijs@163bj.com](mailto:lijs@163bj.com)

作者个人主页: [汤继华<sup>1,2</sup>](#); [严建兵<sup>1</sup>](#); [马西青<sup>1</sup>](#); [腾文涛<sup>1</sup>](#); [孟义江<sup>1</sup>](#); [戴景瑞<sup>1</sup>](#); [李建生<sup>1,\\*</sup>](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (2564KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“玉米”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [汤继华](#)

•

• [严建兵](#)

• [马西青](#)

• [腾文涛](#)

• [孟义江](#)

• [戴景瑞](#)

• [李建生](#)

•