

## 研究简报

### 西藏主要农区青稞品种的遗传多样性分析

孟凡磊<sup>1</sup>, 强小林<sup>2</sup>, 余奎军<sup>1</sup>, 唐亚伟<sup>2</sup>, 胡银岗<sup>1,3,\*</sup>

1 西北农林科技大学农学院, 陕西杨凌712100; 2 西藏自治区农牧科学院青稞研究与发展中心, 西藏拉萨850032; 3 陕西省农业分子生物学重点实验室, 陕西杨凌712100

收稿日期 2006-12-30 修回日期 网络版发布日期 2007-10-23 接受日期 2007-5-11

**摘要** 采用内含子切接点引物 (intron-splice junction primer) 和长随机引物的PCR分子标记方法, 对来自西藏主要农区的29个青稞育成品种和3个农家种的遗传多样性进行了分析。结果表明, 选用的5个引物共扩增出稳定清晰的条带39条, 其中26条 (66.7%) 为多态性条带。根据PCR扩增的条带建立[1,0]型数据矩阵, 应用NTSYSpc2.1数据分析软

**关键词** [青稞](#) [种质资源](#) [遗传多样性](#) [聚类分析](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

胡银岗 [huyingang@nwsuaf.edu.cn](mailto:huyingang@nwsuaf.edu.cn)

作者个人主页: 孟凡磊<sup>1</sup>; 强小林<sup>2</sup>; 余奎军<sup>1</sup>; 唐亚伟<sup>2</sup>; 胡银岗<sup>1,3,\*</sup>

## 扩展功能

### 本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (1017KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

▶ [本刊中 包含“青稞”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [孟凡磊](#)

• [强小林](#)

• [余奎军](#)

• [唐亚伟](#)

• [胡银岗](#)

•

•