

研究报告

## phKL基因诱导小麦远缘杂种部分同源染色体配对的能力介于Ph1和Ph2基因突变体之间

相志国, 刘登才, 郑有良, 张连全, 颜泽洪

四川农业大学小麦研究所, 都江堰市611830

收稿日期 2004-9-23 修回日期 2004-10-27 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 在普通小麦地方品种自然群体中天然存在促进小麦-外源杂种部分同源染色体配对的基因phKL。本研究比较了phKL基因与人工Ph基因突变系诱导小麦-*Aegilops variabilis*及小麦-黑麦杂种部分同源染色体配对的作用大小。研究表明, 诱导小麦-*Ae. variabilis*(或黑麦)部分同源染色体配对作用的顺序是ph1b > phKL > ph2b > ph2a, 即phKL基因的作用介于Ph1与Ph2突变体之间。

**关键词** [Ph基因](#) [phKL基因](#) [部分同源染色体配对](#)

分类号 [Q 78](#)

## The Effect of phKL Gene on Homoeologous Pairing of Wheat-alien Hybrids is Situated between Gene Mutants of Ph1 and Ph2

XIANG Zhi-Guo, LIU Deng-Cai, ZHENG You-Liang, ZHANG Lian-Quan,

Triticeae Research Institute, Sichuan Agricultural University, Dujiangyan City, Sichuan 611830, China

### Abstract

In natural populations of common wheat landrace, there has a phKL gene promoting homoeologous pairing of wheat-alien hybrids. In this study, the effects were compared among phKL, ph1b, ph2a and ph2b on homoeologous pairing of wheat-alien hybrids. The effects were indicated as ph1b > phKL > ph2b > ph2a, i. e. phKL gene was situated between gene mutants of Ph1 and Ph2.

**Key words** [Ph gene](#) [phKL](#) [homoeologous pairing](#)

DOI:

通讯作者 刘登才 [dcliu7@yahoo.com](mailto:dcliu7@yahoo.com)

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“Ph基因”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [相志国](#)
- [刘登才](#)
- [郑有良](#)
- [张连全](#)
- [颜泽洪](#)