

用顺序GISH-FISH技术鉴定小麦-中间偃麦草小片段易位系

刘道峰, 王献平, 景建康, 张相岐

遗传研究所植物细胞与染色体工程国家重点实验室;北京 100101

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用顺序基因组-重复序列荧光原位杂交技术对1个来自中3不育系和普通小麦恢75杂种后代稳定株系H96276-2的染色体组成进行了分析。以中间偃麦草 (*Agropyron intermedium*) 基因组DNA为探针的荧光原位杂交结果表明, H96276-2的体细胞中有42条染色体, 包括20对小麦染色体和1对小麦-中间偃麦草易位染色体, 中间偃麦草染色体的易位片段位于1对小麦染色体的端部。进而用重复序列探针pSc119进行第2次荧光原位杂交, 证明H 96276-2中的中间偃麦草染色体易位片段位于小麦2B染色体的短臂上。

关键词 [小麦](#) [中间偃麦草](#) [易位系](#) [顺序GISH-FISH](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(318KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“小麦”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [刘道峰](#)
- [王献平](#)
- [景建康](#)
- [张相岐](#)