

# 利用回交重组自交群体检测水稻抗褐飞虱数量性状基因座

苏昌潮, 程遐年, 翟虎渠, 万建民

农业大学作物遗传与种质创新国家重点实验室;南京农业大学水稻研究所;南京 210095

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用由98个家系组成的Nipponbare/Kasalath//Nipponbare回交重组自交系(Backcross Inbred lines, BILs)作图群体(BC<sup>1</sup>|F<sup>9</sup>), 进行水稻抗褐飞虱数量性状基因座(Quantative Trait Locus, QTL)的检测和遗传效应分析。采用苗期鉴定方法, 并以死苗率作为抗褐飞虱表型值, 分析亲本和98个BILs的抗褐飞虱表现。共检测到3个苗期抗褐飞虱QTL, 分别位于2、10和12染色体上。各QTL的LOD值为2.01-2.33, 贡献率为10.4%-16.6%, 可解释群体总表型变异的39.0%。这3个数量性状基因座对褐飞虱的抗性均来自抗虫亲本Kasalath。与这些数量性状基因座连锁的分子标记可望应用于聚合多个抗性基因, 培育对褐飞虱具有水平抗性水稻新品种的育种实践中。

**关键词** [水稻](#) [抗褐飞虱](#) [回交重组自交\(BIL\)群体](#) [数量性状基因座\(QTL\)分析](#)

分类号

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(212KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [苏昌潮](#)
- [程遐年](#)
- [翟虎渠](#)
- [万建民](#)

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者