

# 水稻叶片性状和根系活力的QTL定位

沈波1, 2, 庄杰云1, 张克勤1, 夏奇清2, 盛晨霞2, 郑康乐1, ①

1.中国水稻研究所 国家水稻改良中心 水稻生物学国家重点实验室;杭州 310006; 2.杭州师范学院 生命科学系;杭州 310012

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 应用由247个株系组成的珍汕97B/密阳46重组自交系(RIL)群体及其分子标记连锁图谱,检测控制剑叶、倒二叶、倒三叶的5个形态性状和控制根系伤流量性状的数量性状座位(QTL)。在9个标记区间检测到控制叶片形态性状的24个QTL, LOD值为2.9~11.8, 单个QTL的表型变异贡献率为4.0%~32.5%; 分别检测到56对和4对控制叶片形态和根系活力的上位性互作, 绝大多数互作发生在2个不表现加性效应的座位之间。与该群体产量性状QTL的研究结果相比较,发现控制叶片性状和根系活力的QTL与产量性状QTL往往处于相似的染色体区间。

关键词 [水稻](#) [数量性状座位](#) [叶片性状](#) [根系伤流量](#)

分类号

1.College of Life Science;Fujian Agriculture and Forestry University;Fuzhou 350002;China; 2.College of Crop Science;Fujian Agriculture and Forestry University;Fuzhou 350002;China

## Abstract

**Key words** [Key words](#) [rice](#) [recombinant inbred lines](#) [QTL](#) [chlorophyll content](#)

DOI:

通讯作者

## 扩展功能

### 本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(318KB\)](#)

▶ [HTML全文\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [沈波](#)
- 
- [庄杰云](#)
- [张克勤](#)
- [夏奇清](#)
- [盛晨霞](#)
- [郑康乐](#)
-