

3B染色体短臂小麦赤霉病抗性主效QTL的分析

周淼平¹, 任丽娟¹, 张旭¹, Olga E Scholten², 沈晓蓉³, 柏贵华⁴, 马鸿翔¹, 陆维忠¹

1.江苏省农业科学院农业生物遗传生理研究所;南京 210014; 2.荷兰国际植物研究所生物多样性及育种系;Wageningen 6700AA; 3.美国普度大学农艺系;IN 47907; 4.美国俄克拉荷马州立大学植物与土壤研究系;Okla 74078-6028

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用区间作图和复合区间作图方法对重组自交系群体宁894037/Alondra、望水白/Alondra和苏麦3号/Alondra进行了抗赤霉病QTL分析, 结果表明, 用在田间和温室的赤霉病抗性鉴定资料, 在3个赤霉病抗源宁894037、望水白和苏麦3号的3B染色体短臂上均检测到主效QTL的存在。宁894037主效QTL位于标记BARC133与Xgwm493之间的5.0 cM的区间内, 最高可解释42.8%的赤霉病抗性; 望水白的主效QTL位于标记BARC147与Xgwm493之间11.5 cM的区间内, 最高可解释15.1%的赤霉病抗性; 苏麦3号的主效QTL位于Xgwm533a与Xgwm493之间13.0 cM的区间内, 最高可解释10.6%的赤霉病抗性。与赤霉病抗性主效QTL紧密连锁的标记均为SSR标记, 可直接用于分子辅助育种。

关键词 [小麦](#) [赤霉病](#) [数量性状位点](#)

分类号

1.Institute of Agrobiological Genetics and Physiology; Jiangsu Academy of Agricultural Sciences; Nanjing 210014; China; 2. BU Genetics and Breeding; Plant Research International; 6700AA Wageningen; The Netherlands; 3. Department of Agronomy ; Purdue University; West Lafayette; IN 47907; USA; 4. Department of Plant and Soil Science; Oklahoma State University; Stillwater; Oklahoma 74078-6028; USA

Abstract

Key words [Wheat](#) [Fusarium head blight](#) [QTL](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(281KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“小麦”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [周淼平](#)
- [任丽娟](#)
- [张旭](#)
- [Olga E Scholten](#)
- [沈晓蓉](#)
- [柏贵华](#)
- [马鸿翔](#)
- [陆维忠](#)